

1/108

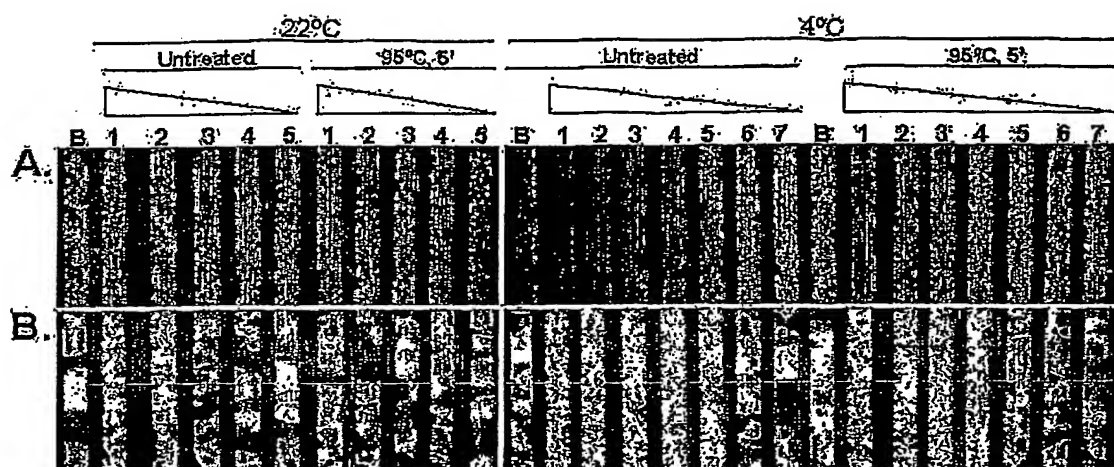


FIGURE 1

2/108

HvTRIP

MARCWLLLLLCALPWPVSAATPCHHDLHALRGFAEELGGGALLRTAWSGASCDDWEGVCGDGAATGRTVTA
 LIPGSSSFVAVLD-EPICHAIRK
 LLSASVEVNGELSP-RIGELITRTIS
 LQSDNPFSGRIED-VFDDITSEH
 LAAHNDPFGFLP-SLASISSIRE
 LAMRMSKCPHARVFSOMPFS
 LVDFTNHTGNIAT-SHAACGERRS
 LNTANVTETVNTAS-WGSEFDLWY
 LDDSNNSFVSEVER-SITPMDHTT
 LLLKXKLTGKIPK-KIGKGLLXK

VGTSPIALSNLPLYVNHNRRTLDQPNV-ITG
 TNNTVPSG
 RNTV-MVG
 NDNTVMSG
 DMN-MVSG
 SNTVMSG
 DMN-MVSG
 DHH-MVSG
 SNH-ITVSG
 TTN-MVSG
 SNH-MVSG
 SNTV-MVSG
 SNTV-MVSG
 SNH-MVSG
 SNH-MVSG
 SNH-MVSG
 SNTVMSG

FIGURE 2A

3/108

DaIRIPd
 MAPKCVLLLLPSAFLLSAAGNTSCHEPDDILRALQSFAGNLSGPGGVI.PRAAWSGASCCDWEGVSCDGASGRVTMPPPTROG-----GASFLAQITR----
 HVKGNRRTLAVQENT-ITG
 TRNTRSSG
 SNN-LVSG
 NDNVLSG
 NNN-LVSG
 SNNVTVG
 SNN-ITG
 ENH-LVSG
 KKH-LVTD
 NNN-AMG
 HDN-LVSG
 EPH-LVSG
 NNN-LVSG
 SNN-LVSG
 ENH-LVSG
 ENK-LVSG*
 SNNTVVSG

FIGURE 2A (cont.)

		*	20	*	40	*	60	*	80	
DaIRIPa	MAKSGE	---	LLFLAFLPLPAASVATACHSFDLEALLHGFAFNLGSGVGLL	---	RAAWSGDGCCTHWGVGCDGASGRV	---	71			
DaIRIPd	MAKSGE	---	LLFLAFLPLPAASVATACHSFDLEALLHGFAFNLGSGVGLL	---	RAAWSGDGCCTHWGVGCDGASGRV	---	71			
DaIRIPe	MAKSGE	---	LLFLAFLPLPAASVATACHSFDLEALLHGFAFNLGSGVGLL	---	RAAWSGDGCCTHWGVGCDGASGRV	---	71			
LpIRIPa	MAKSGE	---	LLFLAFLPLPAASVATACHSFDLEALLHGFAFNLGSGVGLL	---	RAAWSGDGCCTHWGVGCDGASGRV	---	69			
LpIRIPb	MAKSGE	---	LLFLAFLPLPAASVATACHSFDLEALLHGFAFNLGSGVGLL	---	RAAWSGDGCCTHWGVGCDGASGRV	---	70			
LpIRIP	MAKSGE	---	LLFLAFLPLPAASVATACHSFDLEALLHGFAFNLGSGVGLL	---	RAAWSGDGCCTHWGVGCDGASGRV	---	70			
LmIRIP	MAKSGE	---	LLFLAFLPLPAASVATACHSFDLEALLHGFAFNLGSGVGLL	---	RAAWSGDGCCTHWGVGCDGASGRV	---	69			
TaIRIP	MAKSGE	---	LLFLAFLPLPAASVATACHSFDLEALLHGFAFNLGSGVGLL	---	RAAWSGDGCCTHWGVGCDGASGRV	---	69			
HvIRIP	MAKSGE	---	LLFLAFLPLPAASVATACHSFDLEALLHGFAFNLGSGVGLL	---	RAAWSGDGCCTHWGVGCDGASGRV	---	78			
OspPEKR	MAKSGE	---	LLFLAFLPLPAASVATACHSFDLEALLHGFAFNLGSGVGLL	---	RAAWSGDGCCTHWGVGCDGASGRV	---	78			

	*	100	*	120	*	140	*	160	
DaIRIPa :	ITL	GLPEFG	LAGPIPG	ASLAGL	AGV	-----	-----	-----	95
DaIRIPd :	TALRL	ETRG	GL-----	CASLAG	ITR	-----	-----	-----	90
DaIRIPe :	TAM	LPERR	GLANPVP	CASLAS	LARLEE	-----	-----	-----	96
LpIRIPa :	ITL	LPCHG	LAGHIPT	ASLAG	LARLES	-----	-----	-----	97
LpIRIPb :	ITL	LPCHG	LAGHIPT	ASLAG	LARLES	-----	-----	-----	97
LpIRIP :	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-
LmIRIP :	ITL	LPCHG	LAGHIPT	ASLAG	LARLES	-----	-----	-----	97
TaIRIP :	TALRL	LPCHG	LAGPIPG	CASLAG	LARLEE	-----	-----	-----	96
HvIRIP :	TALRL	LPCHG	LAGPIPG	CASLAG	LARLEE	-----	-----	-----	96
OspPSKR :	TALRL	PGKGL	EGPIPE	STESA	LARLD	LDL	SHNALTGGIS	ALLAAVSLRTANLSSNLLNDTLLDLAALPHLSAFNASNM	157

[illegible]

	*	260	*	280	*	300	*	320	
DaIRIPa :	-----								:
DaIRIPd :	-----								:
DaIRIPe :	-----								:
LpIRIPa :	-----								:
LpIRIPb :	-----								:
LpIRIP :	-----								:
LmIRIP :	-----								:
TaIRIP :	-----								:
HvIRIP :	LSPRLGELTRLTSLDLSNRRFSCGLPDVFDLTLSEHLAAKSNDFSGGLPDSLASLSSSLRELNLRNNNSMSGPIARVFSFG :								211
OspPSKR :	VSSRLRGILTNLTSLDLSNRRFTCHLPDVFADLTSLQHLTAHSNGFSGGLPDSLSSSLSLRDNLNRNNNSMSGPIARVNFSS :								317

	*	340	*	360	*	380	*	400	
DaIRIPa :	-	-	-	-	-	-	-	-	:
DaIRIPd :	-	-	-	-	-	-	-	-	:
DaIRIPe :	-	-	-	-	-	-	-	-	:
LpIRIPa :	-	-	-	-	-	-	-	-	:
LpIRIPb :	-	-	-	-	-	-	-	-	:
LpIRIP :	-	-	-	-	-	-	-	-	:
InIRIP :	-	-	-	-	-	-	-	-	:
TaIRIP :	-	-	-	-	-	-	-	-	:
HvIRIP :	-	-	-	-	-	-	-	-	:
OspPSKR :	-	-	-	-	-	-	-	-	:
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A	A	C	G	E	L
	R	S	-	-	-	-	-	-	-
	M	P	F	L	S	V	D	E	S
	T	N	H	L	T	G	H	L	P
	T	S	L	A					

FIGURE 2B

5/108

	*	420	*	440	*	460	*	480	
DaIRIPa :	-----		-----		-----		-----		-
DaIRIPd :	-----		-----		-----		-----		-
DaIRIPe :	-----		-----		-----		-----		-
LpIRIPa :	-----		-----		-----		-----		-
LpIRIPb :	-----		-----		-----		-----		-
LpIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
LmIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
TaIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
HvIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
OspPSKR :	-----		-----		-----		-----		-
	*	500	*	520	*	540	*	560	
DaIRIPa :	-----		-----		-----		-----		143
DaIRIPd :	-----		-----		-----		-----		138
DaIRIPe :	-----		-----		-----		-----		144
LpIRIPa :	-----		-----		-----		-----		208
LpIRIPb :	-----		-----		-----		-----		208
LpIRIP :	-----		-----		-----		-----		39
LmIRIP :	-----		-----		-----		-----		208
TaIRIP :	-----		-----		-----		-----		206
HvIRIP :	-----		-----		-----		-----		351
OspPSKR :	-----		-----		-----		-----		522
	*	580	*	600	*	620	*	640	
DaIRIPa :	-----		-----		-----		-----		222
DaIRIPd :	-----		-----		-----		-----		217
DaIRIPe :	-----		-----		-----		-----		223
LpIRIPa :	-----		-----		-----		-----		279
LpIRIPb :	-----		-----		-----		-----		279
LpIRIP :	-----		-----		-----		-----		118
LmIRIP :	-----		-----		-----		-----		279
TaIRIP :	-----		-----		-----		-----		285
HvIRIP :	-----		-----		-----		-----		430
OspPSKR :	-----		-----		-----		-----		523
	*	660	*	680	*	700	*	720	
DaIRIPa :	-----		-----		-----		-----		-
DaIRIPd :	-----		-----		-----		-----		-
DaIRIPe :	-----		-----		-----		-----		-
LpIRIPa :	-----		-----		-----		-----		-
LpIRIPb :	-----		-----		-----		-----		-
LpIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
LmIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
TaIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
HvIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
OspPSKR :	-----		-----		-----		-----		603
	*	740	*	760	*	780	*	800	
DaIRIPa :	-----		-----		-----		-----		-
DaIRIPd :	-----		-----		-----		-----		-
DaIRIPe :	-----		-----		-----		-----		-
LpIRIPa :	-----		-----		-----		-----		-
LpIRIPb :	-----		-----		-----		-----		-
LpIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
LmIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
TaIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
HvIRIP :	-----		-----		-----		-----		-
OspPSKR :	-----		-----		-----		-----		683

FIGURE 2B (cont.)

6/108

```

      *      820      *      840      *      860      *      880
DaIRIPa : ----- : -
DaIRIPd : ----- : -
DaIRIPe : ----- : -
LpIRIPa : ----- : -
LpIRIPb : ----- : -
LpIRIP  : ----- : -
LmIRIP  : ----- : -
TaIRIP  : ----- : -
HvIRIP  : ----- : -
OspPSKR : LVNISKREVSIIIDDEEINGSCHDSYDYWKPVLPFQDSAKELTVSDLIKSTNNFDOANIIGCGGFGLVYKAYLPDGTAKAVV : 763

      *      900      *      920      *      940      *      960
DaIRIPa : ----- : -
DaIRIPd : ----- : -
DaIRIPe : ----- : -
LpIRIPa : ----- : -
LpIRIPb : ----- : -
LpIRIP  : ----- : -
LmIRIP  : ----- : -
TaIRIP  : ----- : -
HvIRIP  : ----- : -
OspPSKR : KRLSGDCQOMERREFRAEVBALSOAQHKNLVSLRGYCRYGNDRLLIYSYMNNSLDYWLHERSDGGYMLKWSRLKIAQGS : 843

      *      980      *      1000      *      1020      *      1040
DaIRIPa : ----- : -
DaIRIPd : ----- : -
DaIRIPe : ----- : -
LpIRIPa : ----- : -
LpIRIPb : ----- : -
LpIRIP  : ----- : -
LmIRIP  : ----- : -
TaIRIP  : ----- : -
HvIRIP  : ----- : -
OspPSKR : ARGLAYLHKDCPEPNIHRDVKSSNILLNENFEAHLADFGLARLIOPYDTHVTTDLVGTLCGYIPPEYSQSVAIATPKGDVVS : 923

      *      1060      *      1080      *      1100      *      1120
DaIRIPa : ----- : -
DaIRIPd : ----- : -
DaIRIPe : ----- : -
LpIRIPa : ----- : -
LpIRIPb : ----- : -
LpIRIP  : ----- : -
LmIRIP  : ----- : -
TaIRIP  : ----- : -
HvIRIP  : ----- : -
OspPSKR : FGVVLELLLTGRRPMDVSKAGSRDLVSYVLQMISEKKEBQIFDTI.IWSKTHEKQLFSVLEAACRCISTDPQRQPSIEQV : 1003

      *      1140      *      1160      *
DaIRIPa : ----- : -
DaIRIPd : ----- : -
DaIRIPe : ----- : -
LpIRIPa : ----- : -
LpIRIPb : ----- : -
LpIRIP  : ----- : -
LmIRIP  : ----- : -
TaIRIP  : ----- : -
HvIRIP  : ----- : -
OspPSKR : VAWLDSV----- : 1010
```

FIGURE 2B (cont.)

7/108

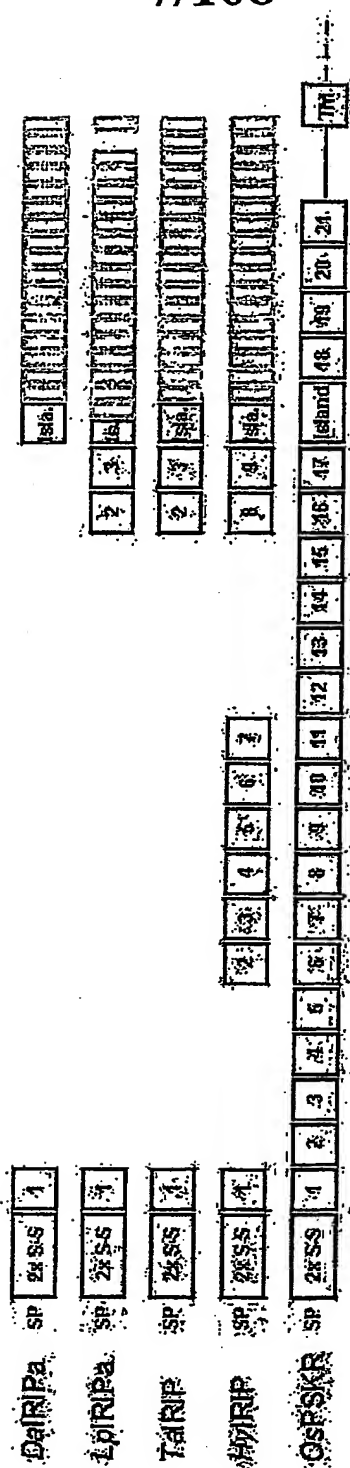


FIGURE 2C

8/108

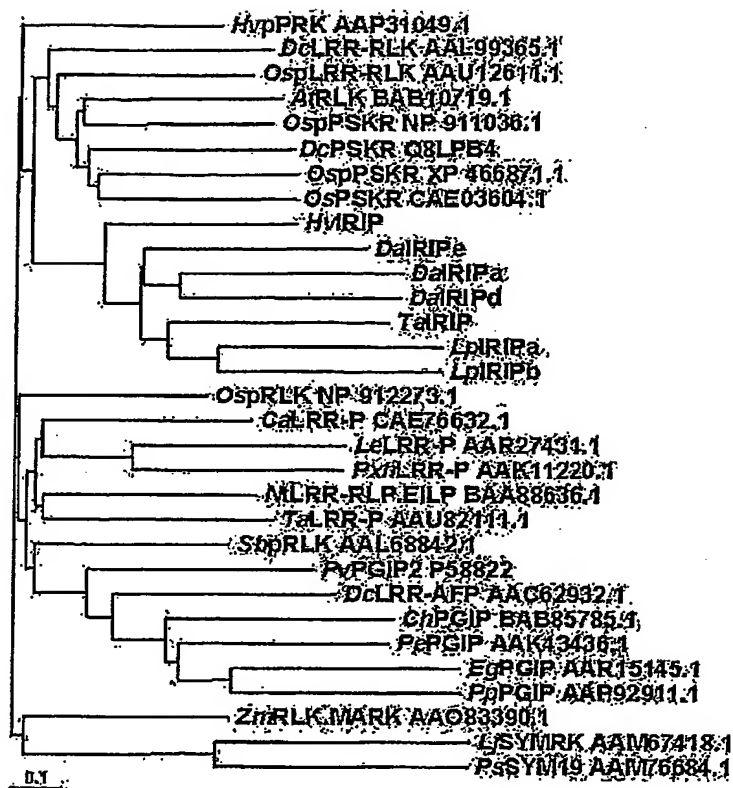
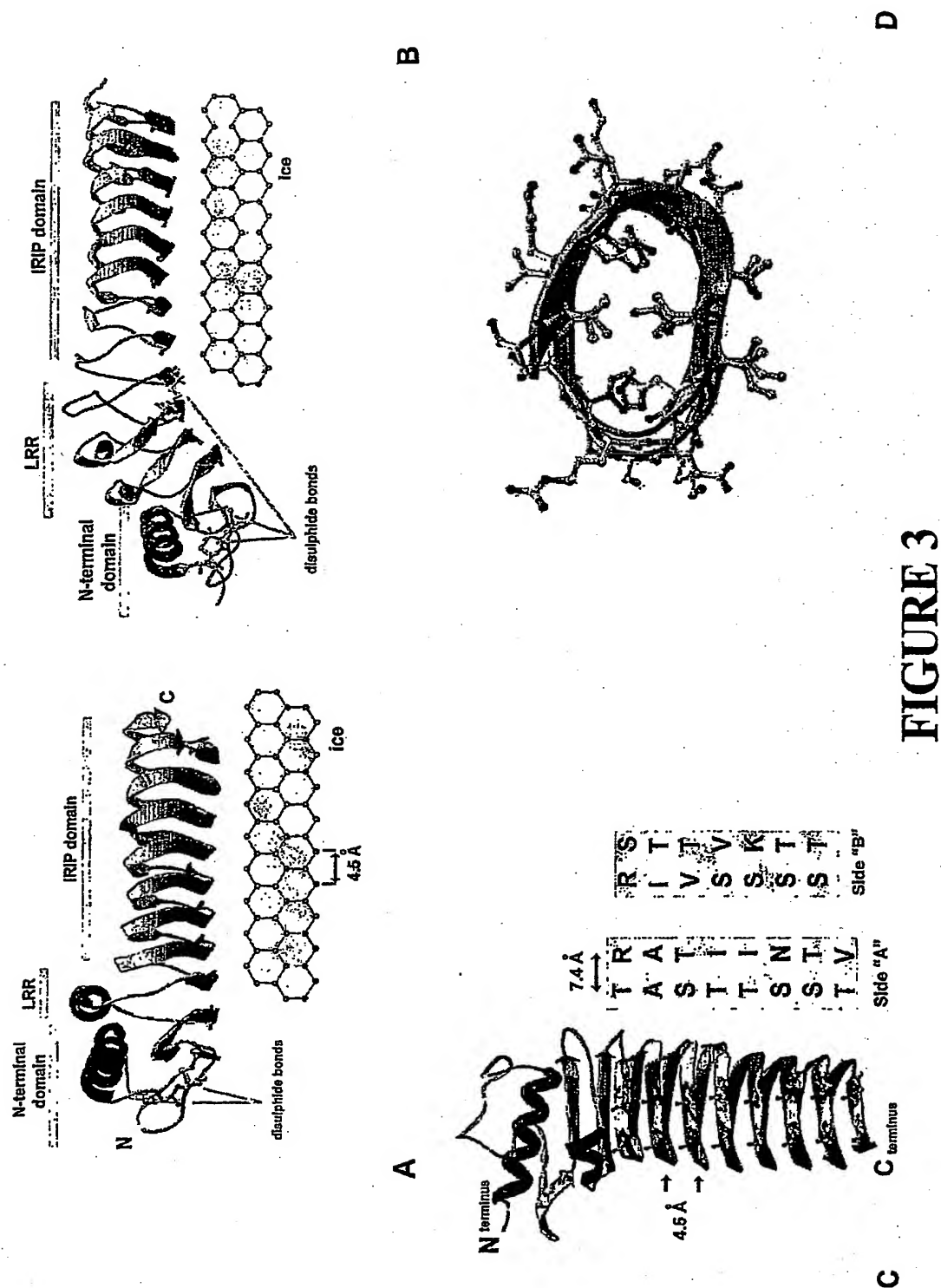


FIGURE 2D

9/108



10/108

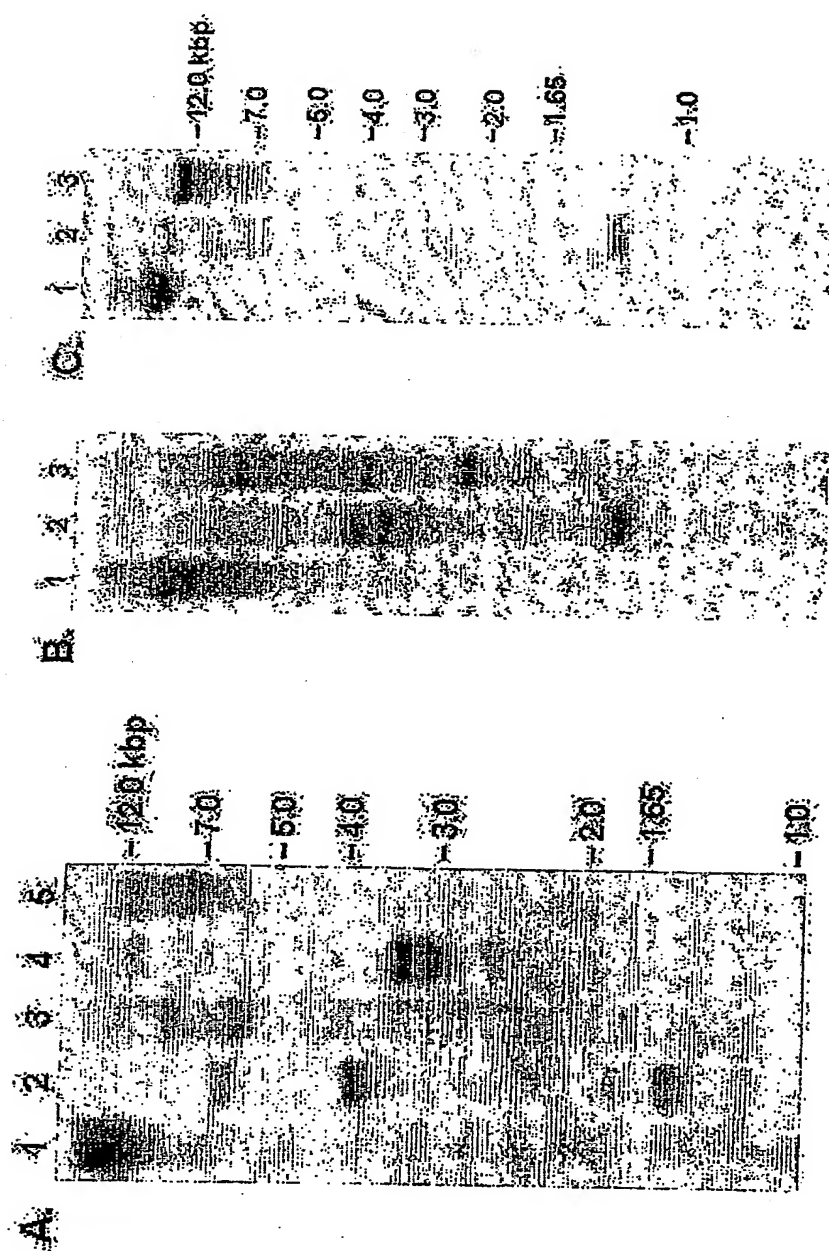


FIGURE 4

11/108

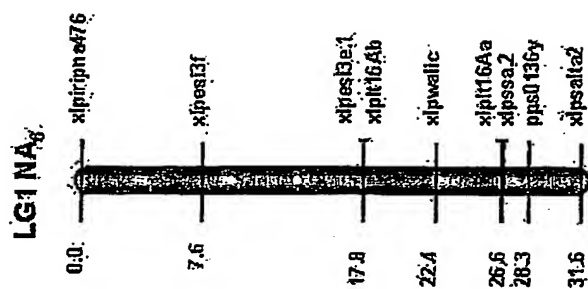
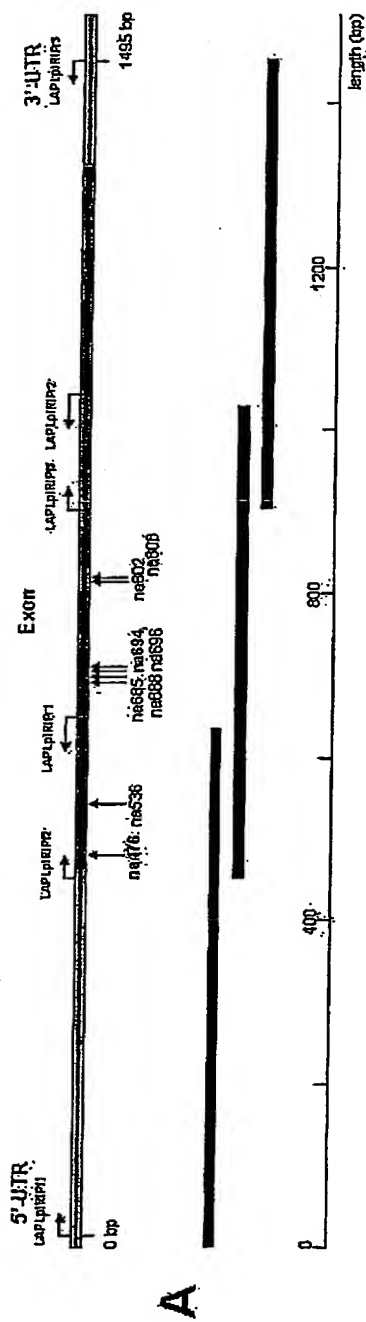


FIGURE 5

12/108



FIGURE 6

13/108

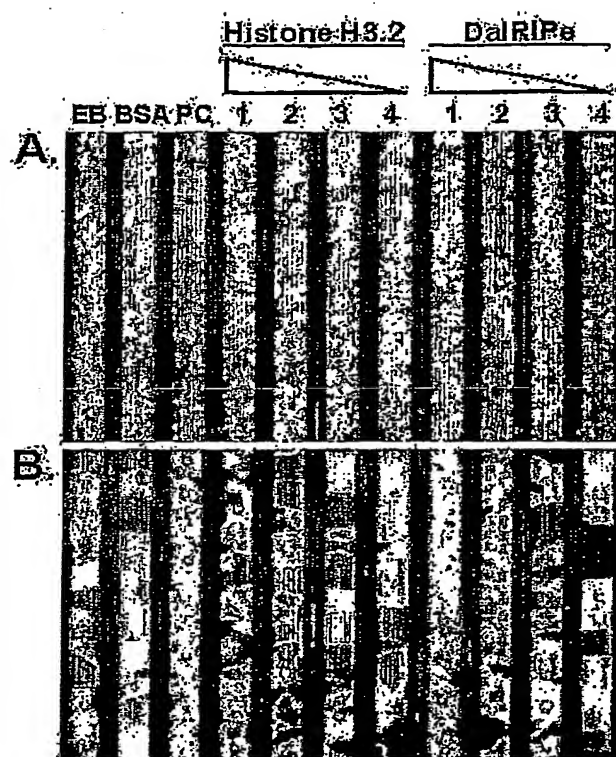


FIGURE 7

14/108

	*	20	*	40	*	60	
DaIRIPa.1	:	GATTACTATAGGGCACGCGTGGTTCGACGGCCCGGGCTGGTATCGTCCTTGCATTAGGCCCG					: 60
DaIRIPa.2	:	GATTACTATAGGGCACGCGTGGTTCGACGGCCCGGGCTGGTATCGTCCTTGCATTAGGCCCG					: 60
DaIRIPa.3	:	-----					: -
DaIRIPa.4	:	-----					: -
DaIRIPa.5	:	-----					: -
DaIRIPa.6	:	-----					: -
DaIRIPa.7	:	-----					: -
DaIRIPa.8	:	-----					: -
DaIRIPa.9	:	-----					: -
DaIRIPa.10	:	-----					: -
DaIRIPa.11	:	-----					: -
DaIRIPa.12	:	-----					: -
DaIRIPa.13	:	-----					: -
DaIRIPa.14	:	-----					: -
DaIRIPa.15	:	-----					: -

	*	80	*	100	*	120	
DaIRIPa.1	:	GTCACGATGTGTGGTCTAGCCATTCCATGTCATCCACATCATATAGGTTGGTGACGTTTA					: 120
DaIRIPa.2	:	GTCACGATGTGTGGTCTAGCCATTCCATGTCATCCACATCATATAGGTTGGTGACGTTTA					: 120
DaIRIPa.3	:	-----					: -
DaIRIPa.4	:	-----					: -
DaIRIPa.5	:	-----					: -
DaIRIPa.6	:	-----					: -
DaIRIPa.7	:	-----					: -
DaIRIPa.8	:	-----					: -
DaIRIPa.9	:	-----					: -
DaIRIPa.10	:	-----					: -
DaIRIPa.11	:	-----					: -
DaIRIPa.12	:	-----					: -
DaIRIPa.13	:	-----					: -
DaIRIPa.14	:	-----					: -
DaIRIPa.15	:	-----					: -

	*	140	*	160	*	180	
DaIRIPa.1	:	TTTTGAAGTCTGCGTAATAAAATCTTCCTAGGATATTTGCATGGTATCACTCAATTATTA					: 180
DaIRIPa.2	:	TTTTGAAGTCTGCGTAATAAAATCTTCCTAGGATATTTGCATGGTATCACTCAATTATTA					: 180
DaIRIPa.3	:	-----					: -
DaIRIPa.4	:	-----					: -
DaIRIPa.5	:	-----					: -
DaIRIPa.6	:	-----					: -
DaIRIPa.7	:	-----					: -
DaIRIPa.8	:	-----					: -
DaIRIPa.9	:	-----					: -
DaIRIPa.10	:	-----					: -
DaIRIPa.11	:	-----					: -
DaIRIPa.12	:	-----					: -
DaIRIPa.13	:	-----					: -
DaIRIPa.14	:	-----					: -
DaIRIPa.15	:	-----					: -

FIGURE 8

15/108

	*	200	*	220	*	240	
DaIRIPa.1 :		CTCTGAGTAGGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCGCAGTCCAATCCTACATGTGGTFA				:	240
DaIRIPa.2 :		CTCTGAGTAGGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCACAGTCCAATCCTACATGTGGTA				:	240
DaIRIPa.3 :		-----				:	-
DaIRIPa.4 :		-----				:	-
DaIRIPa.5 :		-----				:	-
DaIRIPa.6 :		-----				:	-
DaIRIPa.7 :		-----				:	-
DaIRIPa.8 :		-----				:	-
DaIRIPa.9 :		-----				:	-
DaIRIPa.10 :		-----				:	-
DaIRIPa.11 :		-----				:	-
DaIRIPa.12 :		-----				:	-
DaIRIPa.13 :		-----				:	-
DaIRIPa.14 :		-----				:	-
DaIRIPa.15 :		-----				:	-

	*	260	*	280	*	300	
DaIRIPa.1 :		GCTGACAACAAGCAGCTTGAGTGCTTGCCACCCACGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA				:	300
DaIRIPa.2 :		GCTGACAACAAGCAGCTTGAGTGCTTGCCACCCACGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA				:	300
DaIRIPa.3 :		-----CGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA				:	26
DaIRIPa.4 :		-----CGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA				:	26
DaIRIPa.5 :		-----				:	-
DaIRIPa.6 :		-----				:	-
DaIRIPa.7 :		-----				:	-
DaIRIPa.8 :		-----				:	-
DaIRIPa.9 :		-----				:	-
DaIRIPa.10 :		-----				:	-
DaIRIPa.11 :		-----				:	-
DaIRIPa.12 :		-----				:	-
DaIRIPa.13 :		-----				:	-
DaIRIPa.14 :		-----				:	-
DaIRIPa.15 :		-----				:	-

	*	320	*	340	*	360	
DaIRIPa.1 :		AAAACCAAGTTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA				:	360
DaIRIPa.2 :		AAAACCAAGCTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA				:	360
DaIRIPa.3 :		AAAACCAAGCTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA				:	86
DaIRIPa.4 :		AAAACCAAGTTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA				:	86
DaIRIPa.5 :		-----				:	-
DaIRIPa.6 :		-----				:	-
DaIRIPa.7 :		-----				:	-
DaIRIPa.8 :		-----				:	-
DaIRIPa.9 :		-----				:	-
DaIRIPa.10 :		-----				:	-
DaIRIPa.11 :		-----				:	-
DaIRIPa.12 :		-----				:	-
DaIRIPa.13 :		-----				:	-
DaIRIPa.14 :		-----				:	-
DaIRIPa.15 :		-----				:	-

FIGURE 8 (cont.)

16/108

		*	380	*	400	*	420	
DaIRIPa.1	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAA					:	420
DaIRIPa.2	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAA					:	420
DaIRIPa.3	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAA					:	146
DaIRIPa.4	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAA					:	146
DaIRIPa.5	:	-----					:	-
DaIRIPa.6	:	-----					:	-
DaIRIPa.7	:	-----					:	-
DaIRIPa.8	:	-----					:	-
DaIRIPa.9	:	-----					:	-
DaIRIPa.10	:	-----					:	-
DaIRIPa.11	:	-----					:	-
DaIRIPa.12	:	-----					:	-
DaIRIPa.13	:	-----					:	-
DaIRIPa.14	:	-----					:	-
DaIRIPa.15	:	-----					:	-
		*	440	*	460	*	480	
DaIRIPa.1	:	GCAGTTTTTAACAACAACACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT					:	480
DaIRIPa.2	:	GCAGTTTTTAACAACAACGCTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT					:	480
DaIRIPa.3	:	GCAGTTTTTAACAACAACGCTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT					:	206
DaIRIPa.4	:	GCAGTTTTTAACAACAACACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT					:	206
DaIRIPa.5	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT					:	42
DaIRIPa.6	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT					:	42
DaIRIPa.7	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT					:	42
DaIRIPa.8	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT					:	42
DaIRIPa.9	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT					:	42
DaIRIPa.10	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT					:	42
DaIRIPa.11	:	-----					:	-
DaIRIPa.12	:	-----					:	-
DaIRIPa.13	:	-----					:	-
DaIRIPa.14	:	-----					:	-
DaIRIPa.15	:	-----					:	-
		*	500	*	520	*	540	
DaIRIPa.1	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT					:	540
DaIRIPa.2	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT					:	540
DaIRIPa.3	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT					:	266
DaIRIPa.4	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT					:	266
DaIRIPa.5	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT					:	102
DaIRIPa.6	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT					:	102
DaIRIPa.7	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT					:	102
DaIRIPa.8	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT					:	102
DaIRIPa.9	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT					:	102
DaIRIPa.10	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT					:	102
DaIRIPa.11	:	-----					:	-
DaIRIPa.12	:	-----					:	-
DaIRIPa.13	:	-----					:	-
DaIRIPa.14	:	-----					:	-
DaIRIPa.15	:	-----					:	-

FIGURE 8 (cont.)

17/108

		*	560	*	580	*	600	
DaIRIPa.1	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	600				
DaIRIPa.2	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	600				
DaIRIPa.3	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	326				
DaIRIPa.4	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	326				
DaIRIPa.5	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.6	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.7	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.8	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.9	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.10	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.11	:	-----	:	-				
DaIRIPa.12	:	-----	:	-				
DaIRIPa.13	:	-----	:	-				
DaIRIPa.14	:	-----	:	-				
DaIRIPa.15	:	-----	:	-				
		*	620	*	640	*	660	
DaIRIPa.1	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	660				
DaIRIPa.2	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	660				
DaIRIPa.3	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	386				
DaIRIPa.4	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	386				
DaIRIPa.5	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.6	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.7	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.8	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.9	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.10	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.11	:	-----	:	-				
DaIRIPa.12	:	-----	:	-				
DaIRIPa.13	:	-----	:	-				
DaIRIPa.14	:	-----	:	-				
DaIRIPa.15	:	-----	:	-				
		*	680	*	700	*	720	
DaIRIPa.1	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGGT	:	720				
DaIRIPa.2	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGGT	:	720				
DaIRIPa.3	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGGT	:	446				
DaIRIPa.4	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGGT	:	446				
DaIRIPa.5	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGGT	:	282				
DaIRIPa.6	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGGT	:	282				
DaIRIPa.7	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGGT	:	282				
DaIRIPa.8	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGGT	:	282				
DaIRIPa.9	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGGT	:	282				
DaIRIPa.10	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGGT	:	282				
DaIRIPa.11	:	-----GCAAGCGGCCCGGT	:	14				
DaIRIPa.12	:	-----	:	-				
DaIRIPa.13	:	-----	:	-				
DaIRIPa.14	:	-----	:	-				
DaIRIPa.15	:	-----	:	-				

FIGURE 8 (cont.)

18/108

		*	740	*	760	*	780	
DaIRIPa.1	:	CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC						: 780
DaIRIPa.2	:	CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC						: 780
DaIRIPa.3	:	CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC						: 506
DaIRIPa.4	:	CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC						: 506
DaIRIPa.5	:	CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC						: 342
DaIRIPa.6	:	CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC						: 342
DaIRIPa.7	:	CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC						: 342
DaIRIPa.8	:	CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC						: 342
DaIRIPa.9	:	CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC						: 342
DaIRIPa.10	:	CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC						: 342
DaIRIPa.11	:	CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC						: 74
DaIRIPa.12	:	-----GGAGCATCCTTGGC						: 14
DaIRIPa.13	:	-----						: -
DaIRIPa.14	:	-----						: -
DaIRIPa.15	:	-----						: -
		* <th>800</th> <td>*<th>820</th><td>*<th>840</th><td></td></td></td>	800	* <th>820</th> <td>*<th>840</th><td></td></td>	820	* <th>840</th> <td></td>	840	
DaIRIPa.1	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 840
DaIRIPa.2	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 840
DaIRIPa.3	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 566
DaIRIPa.4	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 566
DaIRIPa.5	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 402
DaIRIPa.6	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 402
DaIRIPa.7	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 402
DaIRIPa.8	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 402
DaIRIPa.9	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 402
DaIRIPa.10	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 402
DaIRIPa.11	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 134
DaIRIPa.12	:	GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAA						: 74
DaIRIPa.13	:	-----						: -
DaIRIPa.14	:	-----						: -
DaIRIPa.15	:	-----						: -
		* <th>860</th> <td>*<th>880</th><td>*<th>900</th><td></td></td></td>	860	* <th>880</th> <td>*<th>900</th><td></td></td>	880	* <th>900</th> <td></td>	900	
DaIRIPa.1	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 900
DaIRIPa.2	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 900
DaIRIPa.3	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 626
DaIRIPa.4	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 626
DaIRIPa.5	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 462
DaIRIPa.6	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 462
DaIRIPa.7	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 462
DaIRIPa.8	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 462
DaIRIPa.9	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 462
DaIRIPa.10	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 462
DaIRIPa.11	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 194
DaIRIPa.12	:	ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA						: 134
DaIRIPa.13	:	-----						: -
DaIRIPa.14	:	-----						: -
DaIRIPa.15	:	-----						: -

FIGURE 8 (cont.)

19/108

	*	920	*	940	*	960	
DaIRIPa.1	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	960	
DaIRIPa.2	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	960	
DaIRIPa.3	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	686	
DaIRIPa.4	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	686	
DaIRIPa.5	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	522	
DaIRIPa.6	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	522	
DaIRIPa.7	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	522	
DaIRIPa.8	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	522	
DaIRIPa.9	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGA	:		:	500	
DaIRIPa.10	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	522	
DaIRIPa.11	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	254	
DaIRIPa.12	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	194	
DaIRIPa.13	:	-----GGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	26	
DaIRIPa.14	:	-----GGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	26	
DaIRIPa.15	:	-----GGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:		:	25	

	*	980	*	1000	*	1020	
DaIRIPa.1	:	GAGTGACAATATCATA	:		:	976	
DaIRIPa.2	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGA	:		:	1004	
DaIRIPa.3	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	746	
DaIRIPa.4	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	746	
DaIRIPa.5	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	582	
DaIRIPa.6	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	582	
DaIRIPa.7	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	582	
DaIRIPa.8	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	582	
DaIRIPa.9	:	-----	:		:	-	
DaIRIPa.10	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	582	
DaIRIPa.11	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	314	
DaIRIPa.12	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	254	
DaIRIPa.13	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	86	
DaIRIPa.14	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	86	
DaIRIPa.15	:	GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:		:	85	

	*	1040	*	1060	*	1080	
DaIRIPa.1	:	-----	:		:	-	
DaIRIPa.2	:	-----	:		:	-	
DaIRIPa.3	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	806	
DaIRIPa.4	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	806	
DaIRIPa.5	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	642	
DaIRIPa.6	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	642	
DaIRIPa.7	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	642	
DaIRIPa.8	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	642	
DaIRIPa.9	:	-----	:		:	-	
DaIRIPa.10	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	642	
DaIRIPa.11	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	374	
DaIRIPa.12	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	314	
DaIRIPa.13	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	146	
DaIRIPa.14	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	146	
DaIRIPa.15	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:		:	145	

FIGURE 8 (cont.)

20/108

	*	1100	*	1120	*	1140	
DaIRIPa.1 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.2 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.3 :		ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACAAAGT					866
DaIRIPa.4 :		ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACAAAGT					866
DaIRIPa.5 :		ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT					702
DaIRIPa.6 :		ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT					702
DaIRIPa.7 :		ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT					702
DaIRIPa.8 :		ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT					702
DaIRIPa.9 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.10 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.11 :		ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACAAAGT					434
DaIRIPa.12 :		ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACAAAGT					374
DaIRIPa.13 :		ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT					206
DaIRIPa.14 :		ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT					206
DaIRIPa.15 :		ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT					205

	*	1160	*	1180	*	1200	
DaIRIPa.1 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.2 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.3 :		CGT-----GACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC					905
DaIRIPa.4 :		CGT-----GACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC					905
DaIRIPa.5 :		CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC					762
DaIRIPa.6 :		CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC					762
DaIRIPa.7 :		CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC					762
DaIRIPa.8 :		CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC					762
DaIRIPa.9 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.10 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.11 :		CGT-----GACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC					473
DaIRIPa.12 :		CGT-----GACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC					413
DaIRIPa.13 :		CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC					266
DaIRIPa.14 :		CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC					266
DaIRIPa.15 :		CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC					265

	*	1220	*	1240	*	1260	
DaIRIPa.1 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.2 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.3 :		TCCACCT-----					912
DaIRIPa.4 :		TCCACCT-----					912
DaIRIPa.5 :		TCCACCT-----					769
DaIRIPa.6 :		TCCACCT-----					769
DaIRIPa.7 :		TCCACCT-----					769
DaIRIPa.8 :		TCCACCT-----					769
DaIRIPa.9 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.10 :	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.11 :		TCCACCTGAGCTCACCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA					533
DaIRIPa.12 :		TCCACCTGAGCTCACCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA					473
DaIRIPa.13 :		TCCACCTGAGCTCACCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA					326
DaIRIPa.14 :		TCCACCTGAGCTCACCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA					326
DaIRIPa.15 :		TCCACCTGAGCTCACCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA					325

FIGURE 8 (cont.)

21/108

		*	1280	*	1300	*	1320	
DaIRIPa.1	:	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.2	:	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.3	:	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.4	:	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.5	:	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.6	:	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.7	:	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.8	:	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.9	:	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.10	:	-----		-----		-----		-
DaIRIPa.11	:	ATCGCGGCATGTAAC	TT	CATGGATGGATATAG	CAT	TTTTCCCACTTTAAAT	AAAAATTT	593
DaIRIPa.12	:	ATCGCGGCATGTAAC	TT	CATGGATGGATATAG	CAT	TTTTCCCACTTTAAAT	AAAAATTT	533
DaIRIPa.13	:	ATCGCGGCATGTAAC	TT	CATGGATGGATATAG	CAT	TTTTCCCACTTTAAAT	AAAAATTT	386
DaIRIPa.14	:	ATCGCGGCATGTAAC	TT	CATGGATGGATATAG	CAT	TTTTCCCACTTTAAAT	AAAAATTT	386
DaIRIPa.15	:	ATCGCGGCATGTAAC	TT	CATGGATGGATATAG	CAT	TTTTCCCACTTTAAAT	AAAAATTT	385
		*	1340	*	1360			
DaIRIPa.1	:	-----		-----				-
DaIRIPa.2	:	-----		-----				-
DaIRIPa.3	:	-----		-----				-
DaIRIPa.4	:	-----		-----				-
DaIRIPa.5	:	-----		-----				-
DaIRIPa.6	:	-----		-----				-
DaIRIPa.7	:	-----		-----				-
DaIRIPa.8	:	-----		-----				-
DaIRIPa.9	:	-----		-----				-
DaIRIPa.10	:	-----		-----				-
DaIRIPa.11	:	GCCTCGTGGATGTT	TACAG	AAAAAAAAAAAAAAAA				638
DaIRIPa.12	:	GCCTCGTGGATGTT	TACAG	AAAAAAAAAAAAAAAA				578
DaIRIPa.13	:	GCCTCGTGGATGTT	CT	AAAAAAAAAG	AAAAAAAAAAAAAAAA			431
DaIRIPa.14	:	GCCTCGTGGATGTT	CT	AAAAAAAAAG	AAAAAAAAAAAAAAAA			431
DaIRIPa.15	:	GCCTCGTGGATGTT	CT	AAAAAAAAAG	AAAAAAAAAAAAAAAA			430

FIGURE 8 (cont.)

22/108

DaIRIPa : GATTACTATAGGGCACGCGTGGTTCGACGGCCCGGGCTGGTATCGTCTTGCATTAGGCCG : 60
 * 20 * 40 * 60

DaIRIPa : GTCACGATGTGTGGTCTAGCCATTCCATGTCATCCACATCATATAGGTTGGTGACGTTTA : 120
 * 80 * 100 * 120

DaIRIPa : TTTTGAAGTCTGCGTAATAAAATCTTCCTAGGATATTGCATGGTATCACTCAATTATTA : 180
 * 140 * 160 * 180

DaIRIPa : CTCTGAGTAGGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCRCAGCTCCAATCCTACATGTGGTA : 240
 * 200 * 220 * 240

DaIRIPa : GCTGACAACAAGCAGCTTGAGTGCTTGCCACCCACGAATTCAGTCGACAGAAAACCCA : 300
 * 260 * 280 * 300

DaIRIPa : AAAACCAAGYTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCCTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA : 360
 * 320 * 340 * 360

DaIRIPa : CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAA : 420
 * 380 * 400 * 420

DaIRIPa : GCAGTTTTTAAACAACAACACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAGGTTTCTTGCCGAAT : 480
 * 440 * 460 * 480

DaIRIPa : CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTGTGCTGCTCTT : 540
 * 500 * 520 * 540

DaIRIPa : CTCAGCATTCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC : 600
 * 560 * 580 * 600

DaIRIPa : GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGCGTCCTCCTCCGTGCGCGTG : 660
 * 620 * 640 * 660

DaIRIPa : GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCT : 720
 * 680 * 700 * 720

DaIRIPa : CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC : 780
 * 740 * 760 * 780

DaIRIPa : GGGCCTCGTGAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAAT : 840
 * 800 * 820 * 840

FIGURE 9

23/108

DaIRIPa : * 860 * 880 * 900
 ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA : 900

DaIRIPa : * 920 * 940 * 960
 CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCTGTAATTGG : 960

DaIRIPa : * 980 * 1000 * 1020
 GAGTGACAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCTGATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC : 1020

DaIRIPa : * 1040 * 1060 * 1080
 TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT : 1080

DaIRIPa : * 1100 * 1120 * 1140
 ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT : 1140

DaIRIPa : * 1160 * 1180 * 1200
 CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAAGTGTAGGATTGTC : 1200

DaIRIPa : * 1220 * 1240 * 1260
 TCCACCTGAGCTCACCCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA : 1260

DaIRIPa : * 1280 * 1300 * 1320
 ATCGCGGCATGTAACCTTCATGGATGGATATAGCATCATTTTCCCACTTTAAATAAAATTT : 1320

DaIRIPa : * 1340 * 1360
 GCCTCGTGGATGTCTAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 1365

FIGURE 9 (cont.)

24/108

DaIRIPa : MALKCGLLLLLFSAFLLPAASATACHSRDLRALQGFARNLGGVGGVLLRAAWSGDGCCDWE : 60

DaIRIPa : GVGCDGASGRVTTLQLPTRGLAGPIPGASLAGLVQHVKGNRRTLAEQPNRISGTNNSVRF : 120

DaIRIPa : GRNNALAGNDNTVISGNNNTVSGSFNTVVIGSDNIITGSKHVSVGRKHIVTDNNNKVSGN : 180

DaIRIPa : DNNVSGSFHTVSGSHNTVSGSNNTVSGSNHVSVSGSNKVVTTGG : 222

FIGURE 10

25/108

	*	20	*	40	*	60	
DaIRIPb.1 :	AACAGCAACGTTGTGACTGGAAACCACAACACACTATTACGTGGGAGTGACGACAATGCC						: 60
DaIRIPb.2 :	AACAGCAACGTTGTGACTGGAAACCACAACACACTATTACGTGGGAGTGACGACAATGCC						: 60
DaIRIPb.3 :	AACAGCAACGTTGTGACTGGAAACCACAACACACTATTACGTGGGAGTGACGACAATGCC						: 60

	*	80	*	100	*	120	
DaIRIPb.1 :	GTAAGTGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGACCCACCATGTCGTAACCTGGCGACAACAAT						:120
DaIRIPb.2 :	GTAAGTGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGACCCACCATGTCGTAACCTGGCGACAACAAT						:120
DaIRIPb.3 :	GTAAGTGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGACCCACCATGTCGTAACCTGGCGACAACAAT						:120

	*	140	*	160	*	180	
DaIRIPb.1 :	GCCGTAACAAGGAACCACAATACCGTATCCGGGAGCCATAATACCGTACCTGGGAGCCAT						:180
DaIRIPb.2 :	GCCGTAACAAGGAACCACAATACCGTATCCGGGAGCCATAATACCGTACCTGGGAGCCAT						:180
DaIRIPb.3 :	GCCGTAACAAGGAACCACAATACCGTATCCGGGAGCCATAATACCGTACCTGGGAGCCAT						:180

	*	200	*	220	*	240	
DaIRIPb.1 :	AATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAAGC						:240
DaIRIPb.2 :	AATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAAGC						:240
DaIRIPb.3 :	AATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAAGC						:240

	*	260	*	280	*	300	
DaIRIPb.1 :	AACCACATCGTATCTGGGAACAACAAAGTCGTGACATGAGGTTAATGATCTTTAGTGGAT						:300
DaIRIPb.2 :	AACCACATCGTATCTGGGAACAACAAAGTCGTGACATGAGGTTAATGATCTTTAGTGGAT						:300
DaIRIPb.3 :	AACCACATCGTATCTGGGAACAACAAAGTCGTGACATGAGGTTAATGATCTTTAGTGGAT						:300

	*	320	*	340	*	360	
DaIRIPb.1 :	TGTTTCCATCTTCCCTAACGAAGCTCATGTTTCATGTCCAAGCTAATAAGTGTACCTCACA						:360
DaIRIPb.2 :	TGTTTCCATCTTCCCTAACGAAGCTCATGTTTCATGTCCAAGCTAATAAGTGTACCTCACA						:360
DaIRIPb.3 :	TGTTTCCATCTTCCCTAACGAAGCTCATGTTTCATGTCCAAGCTAATAAGTGTACCTCACA						:360

	*	380	*	400	*	420	
DaIRIPb.1 :	GTCACCTGGTGGGGCCAATCGCGTTATGTAACCTTGATGGATATAGCATCATTTTCGTACT						:420
DaIRIPb.2 :	GTCACCTGGTGGGGCCAATCGCGTTATGTAACCTTGATGGATATAGCATCATTTTCGTACT						:420
DaIRIPb.3 :	GTCACCTGGTGGGGCCAATCGCGTTATGTAACCTTGATGGATATAGCATCATTTTCGTACT						:420

	*	440	
DaIRIPb.1 :	TTAAATAAACTCCCTTAAAAACAAAAA		: 449
DaIRIPb.2 :	TTAAATAAACTCCCTTAAAAACAAAAA		: 449
DaIRIPb.3 :	TTAAATAAACTCCCTTAAAAACAAAAA		: 449

FIGURE 11

26/108

DaIRIPb : AACAGCAACGTTGTGACTGGAAACCACAACACACTATTACGTGGGAGTGACGACAATGCC : 60

DaIRIPb : GTAAGTGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGACCCACCATGTCGTAACGGCGACAACAAT : 120

DaIRIPb : GCCGTAACAAGGAACCACAATACCGTATCCGGGAGCCATAATACCGTACCTGGGAGCCAT : 180

DaIRIPb : AATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAAGC : 240

DaIRIPb : AACCACATCGTATCTGGGAACAACAAAGTCGTGACATGAGGTTAATGATCTTTAGTGGAT : 300

DaIRIPb : TGTTTCATCTTCCCTAACGAAGCTCATGTTTCATGTCCAAGCTAATAAGTGATCTCACA : 360

DaIRIPb : GTCACCTGGTGGGGCCAATCGCGTTATGTAACCTGATGGATATAGCATCATTTTCGTACT : 420

DaIRIPb : TTAAATAAACTCCCTTAAAAACAAAAA : 449

FIGURE 12

27/108

DaIRIPb : NSNVVTGNHNTLLRGSDDNAVSGSKHVVSGETHEVVTGDNNAVTRNHNTVSGSHNTVPESH : 60

DaIRIPb : NTVSGSEHTVSGSHNTVSGSNHIVSGNNKVVT : 92

FIGURE 13

28/108

	* 20 * 40 * 60	
DaIRIPd.1 :	CTGGTATTTTGTCTCTGCGTGCACTGGAACGTAGGCGCACGGTATCACTCACTTAT	: 60
DaIRIPd.2 :	-----	: -
DaIRIPd.3 :	-----	: -
DaIRIPd.4 :	-----	: -
DaIRIPd.5 :	-----	: -
DaIRIPd.6 :	-----	: -
DaIRIPd.7 :	-----	: -
	* 80 * 100 * 120	
DaIRIPd.1 :	ACTCTGCCAAGGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCTCAGTTCCAACCCCTATATGCGG	: 120
DaIRIPd.2 :	-----	: -
DaIRIPd.3 :	-----	: -
DaIRIPd.4 :	-----	: -
DaIRIPd.5 :	-----	: -
DaIRIPd.6 :	-----	: -
DaIRIPd.7 :	-----	: -
	* 140 * 160 * 180	
DaIRIPd.1 :	AGCTGACGAAGGGCAGCTTGAGTCCATGCCACCCACGAATTCAGTCGACAGACAACAGC	: 180
DaIRIPd.2 :	-----	: -
DaIRIPd.3 :	-----	: -
DaIRIPd.4 :	-----	: -
DaIRIPd.5 :	-----	: -
DaIRIPd.6 :	-----	: -
DaIRIPd.7 :	-----	: -
	* 200 * 220 * 240	
DaIRIPd.1 :	AAAAACAAAGTTTGAAGTGGGAGGCCTTGTTGGCCCTTGTGGTCACGGACTAGCTAGTAC	: 240
DaIRIPd.2 :	-----	: -
DaIRIPd.3 :	-----	: -
DaIRIPd.4 :	-----	: -
DaIRIPd.5 :	-----	: -
DaIRIPd.6 :	-----	: -
DaIRIPd.7 :	-----	: -
	* 260 * 280 * 300	
DaIRIPd.1 :	TGAACCACTTGCAACACATGCTTACACACACACTATAAGTAGCATGTACCACCCAAGTAG	: 300
DaIRIPd.2 :	-----	: -
DaIRIPd.3 :	-----	: -
DaIRIPd.4 :	-----	: -
DaIRIPd.5 :	-----	: -
DaIRIPd.6 :	-----	: -
DaIRIPd.7 :	-----	: -
	* 320 * 340 * 360	
DaIRIPd.1 :	TTTTTAACAACAACACTTGCGAATCACTTGCATTCCAAAAAGTCCATTCTTGAGTTGCA	: 360
DaIRIPd.2 :	-----GAGTTGCA	: 8
DaIRIPd.3 :	-----	: -
DaIRIPd.4 :	-----	: -
DaIRIPd.5 :	-----	: -
DaIRIPd.6 :	-----	: -
DaIRIPd.7 :	-----	: -

FIGURE 14

	* 380	* 400	* 420
DaIRIPd.1 :	TACCACAGCTGAATCCATGGCGCCGAAATGCTGGCTGCTACTGCTCTTCTCGGCGTTCCT	:	420
DaIRIPd.2 :	TACCACAGCTGAATCCATGGCGCCGAAATGCTGGCTGCTACTGCTCTTCTCGGCGTTCCT	:	68
DaIRIPd.3 :	-----	:	-
DaIRIPd.4 :	-----	:	-
DaIRIPd.5 :	-----	:	-
DaIRIPd.6 :	-----	:	-
DaIRIPd.7 :	-----	:	-

	*	440	*	460	*	480	
DaIRIPd.1 :	CTTGTCGGCGGGCAGGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCGCGCGCTGCAAGCTT						: 480
DaIRIPd.2 :	CTTGTCGGCGGGCAGGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCGCGCGCTGCAAGCTT						: 128
DaIRIPd.3 :	-----						: -
DaIRIPd.4 :	-----						: -
DaIRIPd.5 :	-----						: -
DaIRIPd.6 :	-----						: -
DaIRIPd.7 :	-----						: -

		*	500	*	520	*	540	
DaIRIPd.1 :	CGCCGGGAACCTCGGCAGCCAGGGGGGGTCTCCCCCGCGCCGCGTGGTCCGGCGCCTC	:	540					
DaIRIPd.2 :	CGCCGGGAACCTCGGCAGCCAGGGGGGGTCTCCCCCGCGCCGCGTGGTCCGGCGCCTC	:	188					
DaIRIPd.3 :	-----	:	-					
DaIRIPd.4 :	-----	:	-					
DaIRIPd.5 :	-----	:	-					
DaIRIPd.6 :	-----	:	-					
DaIRIPd.7 :	-----	:	-					

	*	560	*	580	*	600	
DaIRIPd.1 :	ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTCACTGCGTTGCG						600
DaIRIPd.2 :	ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTCACTGCGTTGCG						248
DaIRIPd.3 :	-----						-
DaIRIPd.4 :	-----						-
DaIRIPd.5 :	-----						-
DaIRIPd.6 :	-----						-
DaIRIPd.7 :	-----						-

		*	620	*	640	*	660	
DaIRIPd.1 :	GCTCCCTACGCGCGGCCCTTGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGTGAAAGGTAA	:	660					
DaIRIPd.2 :	GCTCCCTACGCGCGGCCCTTGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGTGAAAGGTAA	:	308					
DaIRIPd.3 :	-----	:	-					
DaIRIPd.4 :	-----	:	-					
DaIRIPd.5 :	-----	:	-					
DaIRIPd.6 :	-----GCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGTGAAAGGTAA	:	38					
DaIRIPd.7 :	-----GCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGTGAAAGGTAA	:	38					

	* 680	* 700	* 720
DaIRIPd.1 :	CAGGAGAACACTTGCCGTACAACCGAATACAATTACTGGGACCAACAACACGTCAGGTC		: 720
DaIRIPd.2 :	CAGGAGAACACTTGCCGTACAACCGAATACAATTACTGGGACCAACAACAACGTCAGGTC		: 368
DaIRIPd.3 :	-----		: -
DaIRIPd.4 :	-----		: -
DaIRIPd.5 :	-----		: -
DaIRIPd.6 :	CAGGAGAACACTTGCCGTACAACCGAATACAATTACTGGGACCAACAACAACGTCAGGTC		: 98
DaIRIPd.7 :	CAGGAGAACACTTGCCGTACAACCGAATACAATTACTGGGACCAACAACAACGTCAGGTC		: 98

FIGURE 14 (cont.)

30/108

```

      *           740           *           760           *           780
DaIRIPd.1 : TGGGAGCA----- : 728
DaIRIPd.2 : TGGGAGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 428
DaIRIPd.3 : ---GAGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 57
DaIRIPd.4 : ---AGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 56
DaIRIPd.5 : ---AGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 56
DaIRIPd.6 : TGGGAGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 158
DaIRIPd.7 : TGGGAGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 158

```

```

      *           800           *           820           *           840
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : TGTGTCCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCAQAACCGGTAGCAA : 488
DaIRIPd.3 : TGTGTCCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCATAACCGGTAGCAA : 117
DaIRIPd.4 : TGTGTCCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCATAACCGGTAGCAA : 116
DaIRIPd.5 : TGTGTCCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCATAACCGGTAGCAA : 116
DaIRIPd.6 : TGTGTCCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCATAACCGGTAGCAA : 218
DaIRIPd.7 : TGTGTCCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCATAACCGGTAGCAA : 218

```

```

      *           860           *           880           *           900
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : CCATGTCGTGTCCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAAACCGGGCA : 548
DaIRIPd.3 : CCATGTCGTGTCCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAAACCGGGCA : 177
DaIRIPd.4 : CCATGTCGTGTCCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAAACCGGGCA : 176
DaIRIPd.5 : CCATGTCGTGTCCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAAACCGGGCA : 176
DaIRIPd.6 : CCATGTCGTGTCCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAAACCGGGCA : 278
DaIRIPd.7 : CCATGTCGTGTCCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAAACCGGGCA : 278

```

```

      *           920           *           940           *           960
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 608
DaIRIPd.3 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 237
DaIRIPd.4 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 236
DaIRIPd.5 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 236
DaIRIPd.6 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 338
DaIRIPd.7 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 338

```

```

      *           980           *           1000           *           1020
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 668
DaIRIPd.3 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 297
DaIRIPd.4 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 296
DaIRIPd.5 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 296
DaIRIPd.6 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 398
DaIRIPd.7 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 398

```

```

      *           1040           *           1060           *           1080
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTC----- : 702
DaIRIPd.3 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 357
DaIRIPd.4 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 356
DaIRIPd.5 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 356
DaIRIPd.6 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 458
DaIRIPd.7 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 458

```

FIGURE 14 (cont.)

31/108

```

          *      1100          *      1120          *      1140
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : ----- : -
DaIRIPd.3 : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 417
DaIRIPd.4 : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 416
DaIRIPd.5 : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 416
DaIRIPd.6 : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 518
DaIRIPd.7 : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 518

```

```

          *      1160          *      1180          *      1200
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : ----- : -
DaIRIPd.3 : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 477
DaIRIPd.4 : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 476
DaIRIPd.5 : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 476
DaIRIPd.6 : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 578
DaIRIPd.7 : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 578

```

```

          *      1220
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : ----- : -
DaIRIPd.3 : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 498
DaIRIPd.4 : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 497
DaIRIPd.5 : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 497
DaIRIPd.6 : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 599
DaIRIPd.7 : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 599

```

FIGURE 14 (cont.)

32/108

DaIRIPd : CTGGTATTTTGTCTCTGCGTGCCTGGAAGTGTAGGCGCACGGTATCACTCACTTATT : 60
 DaIRIPd : ACTCTGCCAAGGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCTCAGTTCCAACCCTATATGCGGT : 120
 DaIRIPd : AGCTGACGAAGGGCAGCTTGAGTCCATGCCACCCACGAATTTTCAGTCGACAGACAACACC : 180
 DaIRIPd : AAAAACAAGTTTGAAGTGGGAGGCACCTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGCTAGTAC : 240
 DaIRIPd : TGAACCACTTGCAACACATGCTTACACACACACTATAAGTAGCATGTACCACCCAAGTAG : 300
 DaIRIPd : TTTTAAACAACAACACTTGCGAATCACTTGCATTCCAAAAAGTCCATTCTGAGTTGCA : 360
 DaIRIPd : TACCACAGCTGAATCCATGGCGCGGAAATGCTGGCTGCTACTGCTCTTCTCGGCGTTCCT : 420
 DaIRIPd : CTTGTGGCGGCGAGGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCGCGCGCTGCAAAGCTT : 480
 DaIRIPd : CGCCGGGAACCTCGGCAGCCCAGGGGGGCTCCTCCCCCGCGCCGCTGGTCCGGCGCCTC : 540
 DaIRIPd : ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGCCGCGTCACTGCGTTGCG : 600
 DaIRIPd : GCTCCCTACGCGCGGCCTTGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGTGAAAGGTAA : 660
 DaIRIPd : CAGGAGAACAATTGCCGTACAACCGAATACAATTACTGGGACCAACAACAACGTCAGGTC : 720
 DaIRIPd : TGGGAGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 780
 DaIRIPd : TGTGTCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAAGTGGGAGTGATAATACCATAACCGGTAGCAA : 840

FIGURE 15

33/108

DaIRIPd : CCATGTCGTGCTCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACGCGTAACCGGGCA : 900

DaIRIPd : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 960

DaIRIPd : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCATGTCTGTCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 1020

DaIRIPd : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 1080

DaIRIPd : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 1140

DaIRIPd : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 1200

DaIRIPd : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 1221

FIGURE 15 (cont.)

34/108

DaIRIPd : MAPKCWLLLLLFS AFLLSAAGATSCHPDDLRLALQSFAGNLGSPGGVLPRAAWSGASCCDWE : 60

DaIRIPd : GVSCDGASGRVTALRLPTRGLGASLAGLTRHVKGNNRRTLAVQPNTITGTNNNVRS GSNNV : 120

DaIRIPd : VSGNDNTVISGNRNIVSGSYNTVVTGSDNTITGSNHVVSGKNHIVTDNNNAVTGHDNNVS : 180

DaIRIPd : GSFHTVSGNHNTVSGSNNTVSGSNEHVVS GSNKVVTTGG : 217

FIGURE 16

35/108

```

      *           20           *           40           *           60
DaIRIpe.7.1 : GCCACGGAAGACAAGCAGTACTGAACCACTTGCAACGCATACTTACACACACACGCACAC : 60
DaIRIpe.7.2 : GCCACGGAAGACAAGCAGTACTGAACCACTTGCAACGCATACTTACACACACACGCACAC : 60
DaIRIpe.7.3 : ----- : -
DaIRIpe.7.4 : ----- : -
DaIRIpe.7.5 : ----- : -

      *           80           *           100          *           120
DaIRIpe.7.1 : ACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTT TAGCCAAGGAACACTTGCGAATCACTT : 120
DaIRIpe.7.2 : ACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTT TAGCCAAGGAACACTTGCGAATCACTT : 120
DaIRIpe.7.3 : ----- : -
DaIRIpe.7.4 : ----- : -
DaIRIpe.7.5 : ----- : -

      *           140          *           160          *           180
DaIRIpe.7.1 : GCATTCCAAAGAAGGTTTCCTACTCAGTTGTTGCGTCTGTGTATACATAGCGTAACACAG : 180
DaIRIpe.7.2 : GCATTCCAAAGAAGGTTTCCTACTCAGTTGTTGCGTCTGTGTATACATAGCGTAACACAG : 180
DaIRIpe.7.3 : ----- : -
DaIRIpe.7.4 : ----- : -
DaIRIpe.7.5 : ----- : -

      *           200          *           220          *           240
DaIRIpe.7.1 : CTTGAGTCCATGGCGAACTGCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGCGGTTACCCCTTGCCCTGCC : 240
DaIRIpe.7.2 : CTTGAGTCCATGGCGAACTGCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGCGGTTACCCCTTGCCCTGCC : 240
DaIRIpe.7.3 : ----- : -
DaIRIpe.7.4 : ----- : -
DaIRIpe.7.5 : ----- : -

      *           260          *           280          *           300
DaIRIpe.7.1 : GCGAGCGCAACATCGTGCCGCCCGGATGACCTCCACGCGCTACGGGGCTTCGCCGGAAAC : 300
DaIRIpe.7.2 : GCGAGCGCAACATCGTGCCGCCCGGATGACCTCCACGCGCTACGGGGCTTCGCCGGAAAC : 300
DaIRIpe.7.3 : ----- : -
DaIRIpe.7.4 : ----- : -
DaIRIpe.7.5 : ----- : -

      *           320          *           340          *           360
DaIRIpe.7.1 : CTGAGCGGCGGGGGTGTCTCCTCCGCTCCGTGTGGTCCGGCGACTCGTGCTGCGGCTGG : 360
DaIRIpe.7.2 : CTGAGCGGCGGGGGTGTCTCCTCCGCTCCGTGTGGTCCGGCGACTCGTGCTGCGGCTGG : 360
DaIRIpe.7.3 : -----GCGGCTGG : 8
DaIRIpe.7.4 : -----GCGGCTGG : 8
DaIRIpe.7.5 : -----GCGGCTGG : 8

      *           380          *           400          *           420
DaIRIpe.7.1 : GAAGGCGTGCGGTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCGC : 420
DaIRIpe.7.2 : GAAGGCGTGCGGTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCGC : 420
DaIRIpe.7.3 : GAAGGCGTGCGGTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCGC : 68
DaIRIpe.7.4 : GAAGGCGTGCGGTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCGC : 68
DaIRIpe.7.5 : GAAGGCGTGCGGTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCGC : 68

```

FIGURE 17

36/108

		*	440	*	460	*	480	
DaIRIpe.7.1 :	GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC							: 480
DaIRIpe.7.2 :	GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC							: 480
DaIRIpe.7.3 :	GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC							: 128
DaIRIpe.7.4 :	GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC							: 128
DaIRIpe.7.5 :	GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC							: 128
		*	500	*	520	*	540	
DaIRIpe.7.1 :	TTCAAGCGTAACAGAAGAAGCACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC							: 540
DaIRIpe.7.2 :	TTCAAGCGTAACAGAAGAAGCACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC							: 540
DaIRIpe.7.3 :	TTCAAGCGTAACAGAAGAAGCACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC							: 188
DaIRIpe.7.4 :	TTCAAGCGTAACAGAAGAAGCACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC							: 188
DaIRIpe.7.5 :	TTCAAGCGTAACAGAAGAAGCACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC							: 188
		*	560	*	580	*	600	
DaIRIpe.7.1 :	AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA							: 600
DaIRIpe.7.2 :	AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA							: 600
DaIRIpe.7.3 :	AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA							: 248
DaIRIpe.7.4 :	AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA							: 248
DaIRIpe.7.5 :	AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA							: 248
		*	620	*	640	*	660	
DaIRIpe.7.1 :	AACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACTGGGTGTCACAACACTGTG							: 660
DaIRIpe.7.2 :	AACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACTGGGTGTCACAACACTGTG							: 660
DaIRIpe.7.3 :	AACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACTGGGTGTCACAACACTGTG							: 308
DaIRIpe.7.4 :	AACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACTGGGTGTCACAACACTGTG							: 308
DaIRIpe.7.5 :	AACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACTGGGTGTCACAACACTGTG							: 308
		*	680	*	700	*	720	
DaIRIpe.7.1 :	TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACTGACGACAACAATGAC							: 720
DaIRIpe.7.2 :	TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACTGACGACAACAATGAC							: 720
DaIRIpe.7.3 :	TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACTGACGACAACAATGAC							: 368
DaIRIpe.7.4 :	TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACTGACGACAACAATGAC							: 368
DaIRIpe.7.5 :	TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACTGACGACAACAATGAC							: 368
		*	740	*	760	*	780	
DaIRIpe.7.1 :	GATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT							: 780
DaIRIpe.7.2 :	GATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT							: 780
DaIRIpe.7.3 :	GATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT							: 428
DaIRIpe.7.4 :	GATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT							: 428
DaIRIpe.7.5 :	GATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT							: 428
		*	800	*	820	*	840	
DaIRIpe.7.1 :	ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC							: 840
DaIRIpe.7.2 :	ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC							: 840
DaIRIpe.7.3 :	ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC							: 488
DaIRIpe.7.4 :	ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC							: 488
DaIRIpe.7.5 :	ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC							: 488

FIGURE 17 (cont.)

37/108

```

      *           860           *           880           *           900
DaIRIPe.7.1 : ----- : -
DaIRIPe.7.2 : AAAGTCGTGACGGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT----- : 878
DaIRIPe.7.3 : AAAGTCGTGACAGGAGGTTAATGATCAGTGAGTGGATTGTTTCCATCTTCACTAACGAAG : 548
DaIRIPe.7.4 : AAAGTCGTGACAGGAGGTTAATGATCAGTGAGTGGATTGTTTCCATCTTCACTAACGAAG : 548
DaIRIPe.7.5 : AAAGTCGTGACAGGAGGTTAATGATCAGTGAGTGGATTGTTTCCATCTTCACTAACGAAG : 548

      *           920           *           940           *           960
DaIRIPe.7.1 : ----- : -
DaIRIPe.7.2 : ----- : -
DaIRIPe.7.3 : CTTACGACCTTGTCCAAGTTCAACCTAGAGCTCACAATATCTTGGTGGGGCCAATCGTCT : 608
DaIRIPe.7.4 : CTTACGACCTTGTCCAAGTTCAACCTAGAGCTCACAATATCTTGGTGGGGCCAATCGTCT : 608
DaIRIPe.7.5 : CTTACGACCTTGTCCAAGTTCAACCTAGAGCTCACAATATCTTGGTGGGGCCAATCGTCT : 608

      *           980           *           1000           *           1020
DaIRIPe.7.1 : ----- : -
DaIRIPe.7.2 : ----- : -
DaIRIPe.7.3 : TATGTAAC TTCATGGATGTATCCTCCTTTTCCTACTTTAAATAAATTCCTTAAATGTC : 668
DaIRIPe.7.4 : TATGTAAC TTCATGGATGTATCCTCCTTTTCCTACTTTAAATAAATTCCTTAAATGTC : 668
DaIRIPe.7.5 : TATGTAAC TTCATGGATGTATCCTCCTTTTCCTACTTTAAATAAATTCCTTAAATGTC : 668

      *
DaIRIPe.7.1 : ----- : -
DaIRIPe.7.2 : ----- : -
DaIRIPe.7.3 : TTACAAAAAAAAAAAAAAAA : 687
DaIRIPe.7.4 : TTACAAAAAAAAAAAAAAAA : 687
DaIRIPe.7.5 : TTACAAAAAAAAAAAAAAAA : 687

```

FIGURE 17 (cont.)

38/108

DaIRIpe.7 : ^{*} ²⁰ ^{*} ⁴⁰ ^{*} ⁶⁰
 GCCACGGAAGACAAGCAGTACTGAACCACTTGCAACGCATACCTACACACACGCACAC : 60

DaIRIpe.7 : ^{*} ⁸⁰ ^{*} ¹⁰⁰ ^{*} ¹²⁰
 ACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTT^{*}TAGCCAAGGAACACTTGCGAATCACTT : 120

DaIRIpe.7 : ^{*} ¹⁴⁰ ^{*} ¹⁶⁰ ^{*} ¹⁸⁰
 GCATTCCAAAGAAGGTTTCTTACTCAGTTGTTGCGTCTGTGTATACATAGCGTAACACAG : 180

DaIRIpe.7 : ^{*} ²⁰⁰ ^{*} ²²⁰ ^{*} ²⁴⁰
 CTTGAGTCCATGGCGAACTGCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGGCGTTACCCCTTGCCCTGCG : 240

DaIRIpe.7 : ^{*} ²⁶⁰ ^{*} ²⁸⁰ ^{*} ³⁰⁰
 GCGAGCGCAACATCGTGCCGCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGGGCTTCGCCGGAAC : 300

DaIRIpe.7 : ^{*} ³²⁰ ^{*} ³⁴⁰ ^{*} ³⁶⁰
 CTGAGCGCGGGGGTGTCTCTCCGCTCCGTGTGGTCCGGCGACTCGTGCTGCGGCTGG : 360

DaIRIpe.7 : ^{*} ³⁸⁰ ^{*} ⁴⁰⁰ ^{*} ⁴²⁰
 GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCAC : 420

DaIRIpe.7 : ^{*} ⁴⁴⁰ ^{*} ⁴⁶⁰ ^{*} ⁴⁸⁰
 GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC : 480

DaIRIpe.7 : ^{*} ⁵⁰⁰ ^{*} ⁵²⁰ ^{*} ⁵⁴⁰
 TTCAAGCGTAACAGAAGAACACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC : 540

DaIRIpe.7 : ^{*} ⁵⁶⁰ ^{*} ⁵⁸⁰ ^{*} ⁶⁰⁰
 AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA : 600

DaIRIpe.7 : ^{*} ⁶²⁰ ^{*} ⁶⁴⁰ ^{*} ⁶⁶⁰
 AACAAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACTATATCGTAACTGGGTGTCACAACACTGTG : 660

DaIRIpe.7 : ^{*} ⁶⁸⁰ ^{*} ⁷⁰⁰ ^{*} ⁷²⁰
 TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACTGACGACAACAATGAC : 720

DaIRIpe.7 : ^{*} ⁷⁴⁰ ^{*} ⁷⁶⁰ ^{*} ⁷⁸⁰
 GTATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT : 780

DaIRIpe.7 : ^{*} ⁸⁰⁰ ^{*} ⁸²⁰ ^{*} ⁸⁴⁰
 ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC : 840

FIGURE 18

39/108

DaIRIPe.7 : AAAGTCGTGACAGGAGGTTAATGATCAGTGAGTGGATTGTTCCATCTTCACTAACGAAG : 900

DaIRIPe.7 : CTTACGACCTTGTCCAAGTTCAACCTAGAGCTCACAATATCTTGGTGGGGCCAATCGTCT : 960

DaIRIPe.7 : TATGTAACCTTCATGGATGTATCCTCCTTTTCCTACTTTAAATAAATTTCCTTAAATGTC : 1020

DaIRIPe.7 : TTACAAAAAAAAAAAAAAAA : 1039

FIGURE 18 (cont.)

40/108

DaIRIpe.7 : MANCCLLLLFLALPLPAASATSCRPDLDHALRGFAGNLSGGGVLLRSVWSGDSCCGWEGV : 60

DaIRIpe.7 : GCDSASGRVTAMLLPRHGLAKPVPGLASLARLEELFKRNRRTLEEOPNTIQGTNNNVR : 120

DaIRIpe.7 : DGCYNALSGNDNTVISGNNNTVSGSFNTIVTGCHNTVSGSNQVVSGLNHIIVTDDNNNDVSG : 180

DaIRIpe.7 : NDNVSGSFHTVSGSHNTVSGSNNTVSGRNHVVTGSNKVVTGG : 223

FIGURE 19

41/108

		*	20	*	40	*	60	
DaIRIpe.8.1 :	ACACACACGCACACACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTT	AGCCAAGGAACA	:	60				
DaIRIpe.8.2 :	ACACACACGCACACACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTT	AGCCAAGGAACA	:	60				
DaIRIpe.8.3 :	-----	-----	:	-				
DaIRIpe.8.4 :	-----	-----	:	-				
DaIRIpe.8.5 :	-----	-----	:	-				
DaIRIpe.8.6 :	-----	-----	:	-				
		*	80	*	100	*	120	
DaIRIpe.8.1 :	CTTGCGAATCACTTGCATTCCAAAGAAGGTTTCTTACTCAGTTGT	TGCGTCTGTGTATAC	:	120				
DaIRIpe.8.2 :	CTTGCGAATCACTTGCATTCCAAAGAAGGTTTCTTACTCAGTTGT	TGCGTCTGTGTATAC	:	120				
DaIRIpe.8.3 :	-----	-----	:	-				
DaIRIpe.8.4 :	-----	-----	:	-				
DaIRIpe.8.5 :	-----	-----	:	-				
DaIRIpe.8.6 :	-----	-----	:	-				
		*	140	*	160	*	180	
DaIRIpe.8.1 :	ATAGCGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGCTACTCCTCT	TCTTGGCGGT	:	180				
DaIRIpe.8.2 :	ATAGCGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGCTACTCCTCT	TCTTGGCGGT	:	180				
DaIRIpe.8.3 :	----CGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGCTACTCCTCT	TCTTGGCGGT	:	56				
DaIRIpe.8.4 :	----CGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGCTACTCCTCT	TCTTGGCGGT	:	56				
DaIRIpe.8.5 :	----CGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGCTACTCCTCT	TCTTGGCGGT	:	56				
DaIRIpe.8.6 :	----CGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGCTACTCCTCT	TCTTGGCGGT	:	56				
		*	200	*	220	*	240	
DaIRIpe.8.1 :	TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCC	ACGCGCTACGGG	:	240				
DaIRIpe.8.2 :	TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCC	ACGCGCTACGGG	:	240				
DaIRIpe.8.3 :	TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCC	ACGCGCTACGGG	:	116				
DaIRIpe.8.4 :	TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCC	ACGCGCTACGGG	:	116				
DaIRIpe.8.5 :	TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCC	ACGCGCTACGGG	:	116				
DaIRIpe.8.6 :	TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCC	ACGCGCTACGGG	:	116				
		*	260	*	280	*	300	
DaIRIpe.8.1 :	GCTTCGCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCCCCCGCTCCGTGT	GGTCCGGTGACT	:	300				
DaIRIpe.8.2 :	GCTTCGCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCCCCCGCTCCGTGT	GGTCCGGTGACT	:	300				
DaIRIpe.8.3 :	GCTTCGCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCTCCGCTCCGTGT	GGTCCGGTGACT	:	176				
DaIRIpe.8.4 :	GCTTCGCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCTCCGCTCCGTGT	GGTCCGGTGACT	:	176				
DaIRIpe.8.5 :	GCTTCGCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCCCCCGCTCCGTGT	GGTCCGGTGACT	:	176				
DaIRIpe.8.6 :	GCTTCGCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCCCCCGCTCCGTGT	GGTCCGGTGACT	:	176				
		*	320	*	340	*	360	
DaIRIpe.8.1 :	CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGG	GTACGACGATGT	:	360				
DaIRIpe.8.2 :	CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGG	GTACGACGATGT	:	360				
DaIRIpe.8.3 :	CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGG	GTACGACGATGT	:	235				
DaIRIpe.8.4 :	CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGG	GTACGACGATGT	:	235				
DaIRIpe.8.5 :	CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGG	GTACGACGATGT	:	236				
DaIRIpe.8.6 :	CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGG	GTACGACGATGT	:	236				

FIGURE 20

42/108

		*	380	*	400	*	420	
DaIRIpe.8.1 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG	:	420					
DaIRIpe.8.2 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG	:	420					
DaIRIpe.8.3 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG	:	295					
DaIRIpe.8.4 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG	:	295					
DaIRIpe.8.5 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG	:	296					
DaIRIpe.8.6 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG	:	296					
		*	440	*	460	*	480	
DaIRIpe.8.1 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC	:	480					
DaIRIpe.8.2 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC	:	480					
DaIRIpe.8.3 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC	:	355					
DaIRIpe.8.4 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC	:	355					
DaIRIpe.8.5 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC	:	356					
DaIRIpe.8.6 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC	:	356					
		*	500	*	520	*	540	
DaIRIpe.8.1 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA	:	540					
DaIRIpe.8.2 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA	:	540					
DaIRIpe.8.3 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA	:	415					
DaIRIpe.8.4 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA	:	415					
DaIRIpe.8.5 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA	:	416					
DaIRIpe.8.6 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA	:	416					
		*	560	*	580	*	600	
DaIRIpe.8.1 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT	:	600					
DaIRIpe.8.2 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT	:	600					
DaIRIpe.8.3 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT	:	475					
DaIRIpe.8.4 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT	:	475					
DaIRIpe.8.5 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT	:	476					
DaIRIpe.8.6 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT	:	476					
		*	620	*	640	*	660	
DaIRIpe.8.1 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG	:	660					
DaIRIpe.8.2 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG	:	660					
DaIRIpe.8.3 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG	:	535					
DaIRIpe.8.4 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG	:	535					
DaIRIpe.8.5 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG	:	536					
DaIRIpe.8.6 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG	:	536					
		*	680	*	700	*	720	
DaIRIpe.8.1 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAAATAATGTATCTGGTAGCTTTTCATACCGTAT	:	720					
DaIRIpe.8.2 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAAATAATGTATCTGGTAGCTTTTCATACCGTAT	:	720					
DaIRIpe.8.3 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAAATAATGTATCTGGTAGCTTTTCATACCGTAT	:	595					
DaIRIpe.8.4 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAAATAATGTATCTGGTAGCTTTTCATACCGTAT	:	595					
DaIRIpe.8.5 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAAATAATGTATCTGGTAGCTTTTCATACCGTAT	:	596					
DaIRIpe.8.6 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAAATAATGTATCTGGTAGCTTTTCATACCGTAT	:	596					

FIGURE 20 (cont.)

43/108

	*	740	*	760	*	780	
DaIRIpe.8.1 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAA-----					: 751
DaIRIpe.8.2 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCC					: 780
DaIRIpe.8.3 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCC					: 655
DaIRIpe.8.4 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCC					: 655
DaIRIpe.8.5 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCC					: 656
DaIRIpe.8.6 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCC					: 656

	*	800	*	820	*	
DaIRIpe.8.1 :		-----				: -
DaIRIpe.8.2 :		TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT				: 832
DaIRIpe.8.3 :		TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT				: 707
DaIRIpe.8.4 :		TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT				: 707
DaIRIpe.8.5 :		TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT				: 708
DaIRIpe.8.6 :		TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT				: 708

FIGURE 20 (cont.)

44/108

DaIRIPe.8 : ACACACACGCACACACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTT TAGCCAAGGAACA : 60

DaIRIPe.8 : CTTGCGAATCACTTGCAATCCAAAGAAGGTTTCTTACTCAGTTGTTGCGTCTGTGTATAC : 120

DaIRIPe.8 : ATAGCGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAACTGCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGCGCT : 180

DaIRIPe.8 : TACTCTTGCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGG : 240

DaIRIPe.8 : GCTTCGCCCGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGCTCTCCCCGCTCCGTGTGGTCCGGTGACT : 300

DaIRIPe.8 : CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGGGTCACGACGATGT : 360

DaIRIPe.8 : GGCTCCCCAGGCGCGGCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGAGCATCCTTGCGGGGCGTCACGG : 420

DaIRIPe.8 : AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAAATACAATTC : 480

DaIRIPe.8 : AAGGGACCAACAACAATGTCTAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTCTGGGAATGACAACA : 540

DaIRIPe.8 : CTGTCATATCCGGAAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACTGGGT : 600

DaIRIPe.8 : GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACTG : 660

DaIRIPe.8 : ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAATAATGTATCTGGTAGCTTTCATACCGTAT : 720

DaIRIPe.8 : CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCG : 780

DaIRIPe.8 : TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT : 832

FIGURE 21

45/108

DaIRIpe.8 : MANCCLLLLFLALLLPAAACATSCHPDDLHALRGFAGNLSGGGVLPRSVWSGDSCCGWEGV : 60

DaIRIpe.8 : GCDDASGRVTTMWLPRRGLVKPVP GASLAGVTELEELITRNRRALEE QPNTIQGTNNNVR : 120

DaIRIpe.8 : DGCYNALSGNDNTVISGNNNTVSGSFNTIVTGCHNTVSGSNQVVSGLNHIVTDDNNDVSG : 180

DaIRIpe.8 : NDNNVSGSFHTVSGSENTVSGSNNTVSGRNHVVTGSNKVVTGG : 223

FIGURE 22

46/108

		*	20	*	40	*	60	
DaIRIPf.1 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
DaIRIPf.2 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
DaIRIPf.3 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
DaIRIPf.4 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
DaIRIPf.5 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
DaIRIPf.6 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
		*	80	*	100	*	120	
DaIRIPf.1 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
DaIRIPf.2 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
DaIRIPf.3 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
DaIRIPf.4 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
DaIRIPf.5 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
DaIRIPf.6 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
		*	140	*	160	*	180	
DaIRIPf.1 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
DaIRIPf.2 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
DaIRIPf.3 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
DaIRIPf.4 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
DaIRIPf.5 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
DaIRIPf.6 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
		*	200	*	220	*	240	
DaIRIPf.1 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
DaIRIPf.2 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
DaIRIPf.3 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
DaIRIPf.4 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
DaIRIPf.5 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
DaIRIPf.6 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
		*	260	*	280	*	300	
DaIRIPf.1 :	TTCATTAAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
DaIRIPf.2 :	TTCATTAAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
DaIRIPf.3 :	TTCATTAAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
DaIRIPf.4 :	TTCATTAAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
DaIRIPf.5 :	TTCATTAAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
DaIRIPf.6 :	TTCATTAAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
		*	320	*	340	*	360	
DaIRIPf.1 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					
DaIRIPf.2 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					
DaIRIPf.3 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					
DaIRIPf.4 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					
DaIRIPf.5 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					
DaIRIPf.6 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					

FIGURE 23

47/108

		*	380	*	400	*	420	
DaIRIPf.1 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA	:	420					
DaIRIPf.2 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA	:	420					
DaIRIPf.3 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA	:	420					
DaIRIPf.4 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA	:	420					
DaIRIPf.5 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA	:	420					
DaIRIPf.6 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA	:	420					
		*	440	*	460	*	480	
DaIRIPf.1 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC	:	480					
DaIRIPf.2 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC	:	480					
DaIRIPf.3 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC	:	480					
DaIRIPf.4 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC	:	480					
DaIRIPf.5 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC	:	480					
DaIRIPf.6 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC	:	480					
		*	500	*	520	*	540	
DaIRIPf.1 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC	:	540					
DaIRIPf.2 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC	:	540					
DaIRIPf.3 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC	:	540					
DaIRIPf.4 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC	:	540					
DaIRIPf.5 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC	:	540					
DaIRIPf.6 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC	:	540					
		*	560	*	580	*	600	
DaIRIPf.1 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC	:	600					
DaIRIPf.2 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC	:	600					
DaIRIPf.3 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC	:	600					
DaIRIPf.4 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC	:	600					
DaIRIPf.5 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC	:	600					
DaIRIPf.6 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC	:	600					
		*	620	*	640	*	660	
DaIRIPf.1 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC	:	660					
DaIRIPf.2 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC	:	660					
DaIRIPf.3 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC	:	660					
DaIRIPf.4 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC	:	660					
DaIRIPf.5 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC	:	660					
DaIRIPf.6 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC	:	660					
		*	680	*	700	*	720	
DaIRIPf.1 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCCAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG	:	720					
DaIRIPf.2 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCCAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG	:	720					
DaIRIPf.3 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCCAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG	:	720					
DaIRIPf.4 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCCAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG	:	720					
DaIRIPf.5 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCCAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG	:	720					
DaIRIPf.6 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCCAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG	:	720					

FIGURE 23 (cont.)

48/108

```

      *           740           *           760           *           780
DaIRIPf.1 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780
DaIRIPf.2 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780
DaIRIPf.3 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780
DaIRIPf.4 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780
DaIRIPf.5 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780
DaIRIPf.6 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780

      *           800           *
DaIRIPf.1 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
DaIRIPf.2 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
DaIRIPf.3 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
DaIRIPf.4 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
DaIRIPf.5 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
DaIRIPf.6 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
```

FIGURE 23 (cont.)

49/108

DaIRIPf : CTCCCCAGGCGGGCCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG : 60
 DaIRIPf : CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT : 120
 DaIRIPf : GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCAC TAGATGGCGAGGTACCC : 180
 DaIRIPf : AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT : 240
 DaIRIPf : TTCATTAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACACTCCAAGAACAACCAAAT : 300
 DaIRIPf : GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTCTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC : 360
 DaIRIPf : GACAATACTGTCTATCTGCGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCTGTA : 420
 DaIRIPf : ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC : 480
 DaIRIPf : GTAAGTATAACAACAATGCCGTAACCGGAACCAACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC : 540
 DaIRIPf : ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC : 600
 DaIRIPf : AAAGTCGTACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC : 660
 DaIRIPf : GGAGTTCACGTCCTTGTCCAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCGC : 720
 DaIRIPf : ATTATGTAACCTTCATGGATATAGCATCCTTTTCTGTTTTTAAATAAAAACCCCTAAACTA : 780
 DaIRIPf : TCTTACAAAAA : 810

FIGURE 24

50/108

DaIRIPf : LPRRGLAGPITGATLAGLTRLESINLANNSLVGTIPSWIGELDHLCYMDLSHNSLDGEVP : 60

DaIRIPf : KSLQIRLRALTITGRSLGMVFINMPLEMKRSRRTLQEQPNVITGTNNSVRSGRNNVVSGN : 120

DaIRIPf : DNTVISGNNNVVSGSHNTIVVTGSDNVVSGSNHVVSRTNHHVVTDNNNAVTGNHNTVSGSHN : 180

DaIRIPf : TVSGSNNVVSGSNHVVSGSNKVVTTGG : 206

FIGURE 25

51/108

	*	20	*	40	*	60	
LpIRIPa.1	:	CCCCGGGCTGGTAAAAGGTTTACGAAATAGTTGTTATTAACTATATATGTTTCATGTAAC	:	60			
LpIRIPa.2	:	CCCCGGGCTGGTAAAAGGTTTACGAAATAGTTGTTATTAACTATATATGTTTCATGTAAC	:	60			
LpIRIPa.3	:	-----	:	-			
LpIRIPa.4	:	-----	:	-			
LpIRIPa.5	:	-----	:	-			
LpIRIPa.6	:	-----	:	-			
LpIRIPa.7	:	-----	:	-			
LpIRIPa.8	:	-----	:	-			
LpIRIPa.9	:	-----	:	-			
LpIRIPa.10	:	-----	:	-			
LpIRIPa.11	:	-----	:	-			
LpIRIPa.12	:	-----	:	-			
LpIRIPa.13	:	-----	:	-			
LpIRIPa.14	:	-----	:	-			
LpIRIPa.15	:	-----	:	-			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26

52/108

	*	80	*	100	*	120	
LpIRIPa.1	:	ATATTTCAATATAATTATTTGTATTACAGCAGAAAAATCATTATTTCTATTACTTTGTATT	:	120			
LpIRIPa.2	:	ATATTTCAATATAATTATTTGTATTACAGCAGAAAAATCATTATTTCTATTACTTTGTATT	:	120			
LpIRIPa.3	:	-----	:	-			
LpIRIPa.4	:	-----	:	-			
LpIRIPa.5	:	-----	:	-			
LpIRIPa.6	:	-----	:	-			
LpIRIPa.7	:	-----	:	-			
LpIRIPa.8	:	-----	:	-			
LpIRIPa.9	:	-----	:	-			
LpIRIPa.10	:	-----	:	-			
LpIRIPa.11	:	-----	:	-			
LpIRIPa.12	:	-----	:	-			
LpIRIPa.13	:	-----	:	-			
LpIRIPa.14	:	-----	:	-			
LpIRIPa.15	:	-----	:	-			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

53/108

	*	140	*	160	*	180	
LpIRIPa.1	:	ATTATTTTGTGAGTGTGTAATAATGGGAATTACAACATACTATTTTCGTATGGGA					: 180
LpIRIPa.2	:	ATTATTTTGTGAGTGTGTAATAATGGGAATTACAACATACTATTTTCGTATGGGA					: 180
LpIRIPa.3	:	-----					: -
LpIRIPa.4	:	-----					: -
LpIRIPa.5	:	-----					: -
LpIRIPa.6	:	-----					: -
LpIRIPa.7	:	-----					: -
LpIRIPa.8	:	-----					: -
LpIRIPa.9	:	-----					: -
LpIRIPa.10	:	-----					: -
LpIRIPa.11	:	-----					: -
LpIRIPa.12	:	-----					: -
LpIRIPa.13	:	-----					: -
LpIRIPa.14	:	-----					: -
LpIRIPa.15	:	-----					: -
LpIRIPa.16	:	-----					: -
LpIRIPa.17	:	-----					: -
LpIRIPa.18	:	-----					: -
LpIRIPa.19	:	-----					: -
LpIRIPa.20	:	-----					: -
LpIRIPa.21	:	-----					: -
LpIRIPa.22	:	-----					: -
LpIRIPa.23	:	-----					: -
LpIRIPa.24	:	-----					: -
LpIRIPa.25	:	-----					: -
LpIRIPa.26	:	-----					: -
LpIRIPa.27	:	-----					: -
LpIRIPa.28	:	-----					: -
LpIRIPa.29	:	-----					: -
LpIRIPa.30	:	-----					: -
LpIRIPa.31	:	-----					: -
LpIRIPa.32	:	-----					: -
LpIRIPa.33	:	-----					: -
LpIRIPa.34	:	-----					: -
LpIRIPa.35	:	-----					: -
LpIRIPa.36	:	-----					: -
LpIRIPa.37	:	-----					: -
LpIRIPa.38	:	-----					: -
LpIRIPa.39	:	-----					: -
LpIRIPa.40	:	-----					: -
LpIRIPa.41	:	-----					: -
LpIRIPa.42	:	-----					: -
LpIRIPa.43	:	-----					: -
LpIRIPa.44	:	-----					: -
LpIRIPa.45	:	-----					: -
LpIRIPa.46	:	-----					: -

FIGURE 26 (cont.)

54/108

	*	200	*	220	*	240	
LpIRIPa.1	:	ACAATTTGTTAATTTTGGTCTCTCTTCTCTTCATAGCTAGCTGACAGCGAGAACAAA	:	240			
LpIRIPa.2	:	ACAATTTGTTAATTTTGGTCTCTCTTCTCTTCATAGCTAGCTGACAGCGAGAACAAA	:	240			
LpIRIPa.3	:	-----	:				-
LpIRIPa.4	:	-----	:				-
LpIRIPa.5	:	-----	:				-
LpIRIPa.6	:	-----	:				-
LpIRIPa.7	:	-----	:				-
LpIRIPa.8	:	-----	:				-
LpIRIPa.9	:	-----	:				-
LpIRIPa.10	:	-----	:				-
LpIRIPa.11	:	-----	:				-
LpIRIPa.12	:	-----	:				-
LpIRIPa.13	:	-----	:				-
LpIRIPa.14	:	-----	:				-
LpIRIPa.15	:	-----	:				-
LpIRIPa.16	:	-----	:				-
LpIRIPa.17	:	-----	:				-
LpIRIPa.18	:	-----	:				-
LpIRIPa.19	:	-----	:				-
LpIRIPa.20	:	-----	:				-
LpIRIPa.21	:	-----	:				-
LpIRIPa.22	:	-----	:				-
LpIRIPa.23	:	-----	:				-
LpIRIPa.24	:	-----	:				-
LpIRIPa.25	:	-----	:				-
LpIRIPa.26	:	-----	:				-
LpIRIPa.27	:	-----	:				-
LpIRIPa.28	:	-----	:				-
LpIRIPa.29	:	-----	:				-
LpIRIPa.30	:	-----	:				-
LpIRIPa.31	:	-----	:				-
LpIRIPa.32	:	-----	:				-
LpIRIPa.33	:	-----	:				-
LpIRIPa.34	:	-----	:				-
LpIRIPa.35	:	-----	:				-
LpIRIPa.36	:	-----	:				-
LpIRIPa.37	:	-----	:				-
LpIRIPa.38	:	-----	:				-
LpIRIPa.39	:	-----	:				-
LpIRIPa.40	:	-----	:				-
LpIRIPa.41	:	-----	:				-
LpIRIPa.42	:	-----	:				-
LpIRIPa.43	:	-----	:				-
LpIRIPa.44	:	-----	:				-
LpIRIPa.45	:	-----	:				-
LpIRIPa.46	:	-----	:				-

FIGURE 26 (cont.)

55/108

	*	260	*	280	*	300
LpIRIPa.1	:	AACCAAGATCTAATTGTGGAAGTAGACTAGTAGTCGACCAACCCATGCATGCTTACATAAG				: 300
LpIRIPa.2	:	AACCAAGATCTAATTGTGGAAGTAGACTAGTAGTCGACCAACCCATGCATGCTTACATAAG				: 300
LpIRIPa.3	:	-----				:
LpIRIPa.4	:	-----				:
LpIRIPa.5	:	-----				:
LpIRIPa.6	:	-----				:
LpIRIPa.7	:	-----				:
LpIRIPa.8	:	-----				:
LpIRIPa.9	:	-----				:
LpIRIPa.10	:	-----				:
LpIRIPa.11	:	-----				:
LpIRIPa.12	:	-----				:
LpIRIPa.13	:	-----				:
LpIRIPa.14	:	-----				:
LpIRIPa.15	:	-----				:
LpIRIPa.16	:	-----				:
LpIRIPa.17	:	-----				:
LpIRIPa.18	:	-----				:
LpIRIPa.19	:	-----				:
LpIRIPa.20	:	-----				:
LpIRIPa.21	:	-----				:
LpIRIPa.22	:	-----				:
LpIRIPa.23	:	-----				:
LpIRIPa.24	:	-----				:
LpIRIPa.25	:	-----				:
LpIRIPa.26	:	-----				:
LpIRIPa.27	:	-----				:
LpIRIPa.28	:	-----				:
LpIRIPa.29	:	-----				:
LpIRIPa.30	:	-----				:
LpIRIPa.31	:	-----				:
LpIRIPa.32	:	-----				:
LpIRIPa.33	:	-----				:
LpIRIPa.34	:	-----				:
LpIRIPa.35	:	-----				:
LpIRIPa.36	:	-----				:
LpIRIPa.37	:	-----				:
LpIRIPa.38	:	-----				:
LpIRIPa.39	:	-----				:
LpIRIPa.40	:	-----				:
LpIRIPa.41	:	-----				:
LpIRIPa.42	:	-----				:
LpIRIPa.43	:	-----				:
LpIRIPa.44	:	-----				:
LpIRIPa.45	:	-----				:
LpIRIPa.46	:	-----				:

FIGURE 26 (cont.)

56/108

	*	320	*	340	*	360	
LpIRIPa.1	:	AAAACACACGCACTATAAGATTGGATGCACCACCCAAGCACTATAAAAAAGGATGCACCAC	:	360			
LpIRIPa.2	:	AAAACACACGCACTATAAGATTGGATGCACCACCCAAGCACTATAAAAAAGGATGCACCAC	:	360			
LpIRIPa.3	:	-----	:	-			
LpIRIPa.4	:	-----	:	-			
LpIRIPa.5	:	-----	:	-			
LpIRIPa.6	:	-----	:	-			
LpIRIPa.7	:	-----	:	-			
LpIRIPa.8	:	-----	:	-			
LpIRIPa.9	:	-----	:	-			
LpIRIPa.10	:	-----	:	-			
LpIRIPa.11	:	-----	:	-			
LpIRIPa.12	:	-----	:	-			
LpIRIPa.13	:	-----	:	-			
LpIRIPa.14	:	-----	:	-			
LpIRIPa.15	:	-----	:	-			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

57/108

	*	380	*	400	*	420	
LpIRIPa.1	:	CTAAGCAATTTT	TGCCAACAGCGCGCACTT	GTGTTGCATTCAAAAAGAAAAT	CTTACATAG	:	420
LpIRIPa.2	:	CTAAGCAATTTT	TGCCAACAGCGCGCACTT	GTGTTGCATTCAAAAAGAAAAT	CTTACATAG	:	420
LpIRIPa.3	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.4	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.5	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.6	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.7	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.8	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.9	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.10	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.11	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.12	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.13	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.14	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.15	:	-----	-----	-----	CTTACATAG	:	9
LpIRIPa.16	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.17	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.18	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.19	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.20	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.21	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.22	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.23	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.24	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.25	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.26	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.27	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.28	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.29	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.30	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.31	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.32	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.33	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.34	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.35	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.36	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.37	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.38	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.39	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.40	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.41	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.42	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.43	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.44	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.45	:	-----	-----	-----	-----	:	-
LpIRIPa.46	:	-----	-----	-----	-----	:	-

FIGURE 26 (cont.)

58/108

	*	440	*	460	*	480	
LpIRIPa.1 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	480				
LpIRIPa.2 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	480				
LpIRIPa.3 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.4 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.5 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.6 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.7 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.8 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.9 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.10 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.11 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.12 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.13 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.14 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.15 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.16 :	-----	:	-				
LpIRIPa.17 :	-----	:	-				
LpIRIPa.18 :	-----	:	-				
LpIRIPa.19 :	-----	:	-				
LpIRIPa.20 :	-----	:	-				
LpIRIPa.21 :	-----	:	-				
LpIRIPa.22 :	-----	:	-				
LpIRIPa.23 :	-----	:	-				
LpIRIPa.24 :	-----	:	-				
LpIRIPa.25 :	-----	:	-				
LpIRIPa.26 :	-----	:	-				
LpIRIPa.27 :	-----	:	-				
LpIRIPa.28 :	-----	:	-				
LpIRIPa.29 :	-----	:	-				
LpIRIPa.30 :	-----	:	-				
LpIRIPa.31 :	-----	:	-				
LpIRIPa.32 :	-----	:	-				
LpIRIPa.33 :	-----	:	-				
LpIRIPa.34 :	-----	:	-				
LpIRIPa.35 :	-----	:	-				
LpIRIPa.36 :	-----	:	-				
LpIRIPa.37 :	-----	:	-				
LpIRIPa.38 :	-----	:	-				
LpIRIPa.39 :	-----	:	-				
LpIRIPa.40 :	-----	:	-				
LpIRIPa.41 :	-----	:	-				
LpIRIPa.42 :	-----	:	-				
LpIRIPa.43 :	-----	:	-				
LpIRIPa.44 :	-----	:	-				
LpIRIPa.45 :	-----	:	-				
LpIRIPa.46 :	-----	:	-				

FIGURE 26 (cont.)

59/108

	*	500	*	520	*	540	
LpIRIPa.1	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	540			
LpIRIPa.2	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	540			
LpIRIPa.3	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.4	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.5	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.6	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.7	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.8	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.9	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.10	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.11	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.12	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.13	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.14	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.15	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

60/108

	*	560	*	580	*	600	
LpIRIPa.1	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		CTTGCTGTAGTT	:	600	
LpIRIPa.2	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	600	
LpIRIPa.3	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.4	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.5	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.6	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.7	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.8	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.9	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.10	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.11	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.12	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.13	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.14	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAAC		TCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.15	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCCG		CAACTCTTGCTGTAGTT	:	189	
LpIRIPa.16	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.17	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.18	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.19	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.20	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.21	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.22	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.23	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.24	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.25	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.26	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.27	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.28	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.29	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.30	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.31	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.32	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.33	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.34	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.35	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.36	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.37	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.38	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.39	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.40	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.41	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.42	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.43	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.44	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.45	:	-----		-----	:	-	
LpIRIPa.46	:	-----		-----	:	-	

FIGURE 26 (cont.)

61/108

	*	620	*	640	*	660	
LpIRIPa.1	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	660			
LpIRIPa.2	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGTTCGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	660			
LpIRIPa.3	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.4	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.5	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.6	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.7	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.8	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.9	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.10	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.11	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.12	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.13	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.14	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.15	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

62/108

	*	680	*	700	*	720	
LpIRIPa.1	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	720			
LpIRIPa.2	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	720			
LpIRIPa.3	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.4	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.5	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.6	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.7	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.8	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.9	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.10	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.11	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.12	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.13	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.14	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.15	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

63/108

	*	740	*	760	*	780	
LpIRIPa.1 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	780				
LpIRIPa.2 :	TCAACCTCGCCGACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	780				
LpIRIPa.3 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.4 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.5 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.6 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.7 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.8 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.9 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.10 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.11 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.12 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.13 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.14 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.15 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.16 :	-----	:	-				
LpIRIPa.17 :	-----	:	-				
LpIRIPa.18 :	-----	:	-				
LpIRIPa.19 :	-----	:	-				
LpIRIPa.20 :	-----	:	-				
LpIRIPa.21 :	-----	:	-				
LpIRIPa.22 :	-----	:	-				
LpIRIPa.23 :	-----	:	-				
LpIRIPa.24 :	-----	:	-				
LpIRIPa.25 :	-----	:	-				
LpIRIPa.26 :	-----	:	-				
LpIRIPa.27 :	-----	:	-				
LpIRIPa.28 :	-----	:	-				
LpIRIPa.29 :	-----	:	-				
LpIRIPa.30 :	-----	:	-				
LpIRIPa.31 :	-----	:	-				
LpIRIPa.32 :	-----	:	-				
LpIRIPa.33 :	-----	:	-				
LpIRIPa.34 :	-----	:	-				
LpIRIPa.35 :	-----	:	-				
LpIRIPa.36 :	-----	:	-				
LpIRIPa.37 :	-----	:	-				
LpIRIPa.38 :	-----	:	-				
LpIRIPa.39 :	-----	:	-				
LpIRIPa.40 :	-----	:	-				
LpIRIPa.41 :	-----	:	-				
LpIRIPa.42 :	-----	:	-				
LpIRIPa.43 :	-----	:	-				
LpIRIPa.44 :	-----	:	-				
LpIRIPa.45 :	-----	:	-				
LpIRIPa.46 :	-----	:	-				

FIGURE 26 (cont.)

64/108

	*	800	*	820	*	840	
LpIRIPa.1	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	840			
LpIRIPa.2	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	840			
LpIRIPa.3	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.4	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.5	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.6	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.7	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.8	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.9	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.10	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.11	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.12	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.13	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.14	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.15	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

[illegible]

FIGURE 26 (cont.)

[illegible]

FIGURE 26 (cont.)

67/108

		*	980	*	1000	*	1020	
LpIRIPa.1	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	1020				
LpIRIPa.2	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	1020				
LpIRIPa.3	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568				
LpIRIPa.4	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568				
LpIRIPa.5	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568				
LpIRIPa.6	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568				
LpIRIPa.7	:	GGACC-----	:	554				
LpIRIPa.8	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568				
LpIRIPa.9	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	569				
LpIRIPa.10	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	567				
LpIRIPa.11	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	566				
LpIRIPa.12	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568				
LpIRIPa.13	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568				
LpIRIPa.14	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568				
LpIRIPa.15	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	566				
LpIRIPa.16	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.17	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.18	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.19	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.20	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.21	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.22	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.23	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.24	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.25	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.26	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.27	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.28	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.29	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.30	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.31	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.32	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.33	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.34	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.35	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.36	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.37	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.38	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.39	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168				
LpIRIPa.40	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	166				
LpIRIPa.41	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	165				
LpIRIPa.42	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	161				
LpIRIPa.43	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	161				
LpIRIPa.44	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	161				
LpIRIPa.45	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	155				
LpIRIPa.46	:	-----AATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	28				

FIGURE 26 (cont.)

68/108

	*	1040	*	1060	*	1080	
LpIRIPa.1	:	TCACATCCGGGAACAAC	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	AC	GTGCTCTGGGACCAACC	: 1080
LpIRIPa.2	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	AC	GTGCTCTGGGACCAACC	: 1080
LpIRIPa.3	:	-----					:
LpIRIPa.4	:	-----					:
LpIRIPa.5	:	-----					:
LpIRIPa.6	:	-----					:
LpIRIPa.7	:	-----					:
LpIRIPa.8	:	-----					:
LpIRIPa.9	:	-----					:
LpIRIPa.10	:	-----					:
LpIRIPa.11	:	-----					:
LpIRIPa.12	:	-----					:
LpIRIPa.13	:	-----					:
LpIRIPa.14	:	-----					:
LpIRIPa.15	:	-----					:
LpIRIPa.16	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		:
LpIRIPa.17	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.18	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.19	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.20	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.21	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.22	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.23	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.24	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.25	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.26	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.27	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.28	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 218
LpIRIPa.29	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.30	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.31	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.32	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.33	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.34	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.35	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.36	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.37	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.38	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.39	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.40	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 228
LpIRIPa.41	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 226
LpIRIPa.42	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 225
LpIRIPa.43	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 221
LpIRIPa.44	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 221
LpIRIPa.45	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 221
LpIRIPa.46	:	TCACATCCGGGAACAACA	ATGTTGTG	TCTGGAAACCACAAC	ACCGTGTCTGGGACCAACC		: 215
							: 88

FIGURE 26 (cont.)

[illegible]

FIGURE 26 (cont.)

70/108

	*	1160	*	1180	*	1200	
LpIRIPa.1	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	1200			
LpIRIPa.2	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	1200			
LpIRIPa.3	:	-----	:	-			
LpIRIPa.4	:	-----	:	-			
LpIRIPa.5	:	-----	:	-			
LpIRIPa.6	:	-----	:	-			
LpIRIPa.7	:	-----	:	-			
LpIRIPa.8	:	-----	:	-			
LpIRIPa.9	:	-----	:	-			
LpIRIPa.10	:	-----	:	-			
LpIRIPa.11	:	-----	:	-			
LpIRIPa.12	:	-----	:	-			
LpIRIPa.13	:	-----	:	-			
LpIRIPa.14	:	-----	:	-			
LpIRIPa.15	:	-----	:	-			
LpIRIPa.16	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.17	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.18	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.19	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.20	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.21	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	323			
LpIRIPa.22	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.23	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.24	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.25	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.26	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.29	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.30	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.31	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.32	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.33	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.34	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.35	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.36	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.37	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.38	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.39	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348			
LpIRIPa.40	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	346			
LpIRIPa.41	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	345			
LpIRIPa.42	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	341			
LpIRIPa.43	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	341			
LpIRIPa.44	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	341			
LpIRIPa.45	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	335			
LpIRIPa.46	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	208			

FIGURE 26 (cont.)

71/108

	*	1220	*	1240	*	1260	
LpIRIPa.1 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCTGCATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 1260
LpIRIPa.2 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 1260
LpIRIPa.3 :	-----						: -
LpIRIPa.4 :	-----						: -
LpIRIPa.5 :	-----						: -
LpIRIPa.6 :	-----						: -
LpIRIPa.7 :	-----						: -
LpIRIPa.8 :	-----						: -
LpIRIPa.9 :	-----						: -
LpIRIPa.10 :	-----						: -
LpIRIPa.11 :	-----						: -
LpIRIPa.12 :	-----						: -
LpIRIPa.13 :	-----						: -
LpIRIPa.14 :	-----						: -
LpIRIPa.15 :	-----						: -
LpIRIPa.16 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.17 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.18 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.19 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.20 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.21 :	-----						: -
LpIRIPa.22 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.23 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.24 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.25 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.26 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.27 :	-----						: -
LpIRIPa.28 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.29 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.30 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.31 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.32 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.33 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.34 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.35 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.36 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.37 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.38 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.39 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.40 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 406
LpIRIPa.41 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 405
LpIRIPa.42 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 401
LpIRIPa.43 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 401
LpIRIPa.44 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 401
LpIRIPa.45 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 395
LpIRIPa.46 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 268

FIGURE 26 (cont.)

72/108

	*	1280	*	1300	*	1320	
LpIRIPa.1 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCC-----						1298
LpIRIPa.2 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCC-----						1298
LpIRIPa.3 :	-----						-
LpIRIPa.4 :	-----						-
LpIRIPa.5 :	-----						-
LpIRIPa.6 :	-----						-
LpIRIPa.7 :	-----						-
LpIRIPa.8 :	-----						-
LpIRIPa.9 :	-----						-
LpIRIPa.10 :	-----						-
LpIRIPa.11 :	-----						-
LpIRIPa.12 :	-----						-
LpIRIPa.13 :	-----						-
LpIRIPa.14 :	-----						-
LpIRIPa.15 :	-----						-
LpIRIPa.16 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.17 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.18 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.19 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.20 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.21 :	-----						-
LpIRIPa.22 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.23 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.24 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.25 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.26 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.27 :	-----						-
LpIRIPa.28 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.29 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.30 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.31 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.32 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.33 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.34 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.35 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.36 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.37 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.38 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.39 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						468
LpIRIPa.40 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						466
LpIRIPa.41 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						465
LpIRIPa.42 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						461
LpIRIPa.43 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						461
LpIRIPa.44 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						461
LpIRIPa.45 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						455
LpIRIPa.46 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						328

FIGURE 26 (cont.)

73/108

	*	1340	*	1360	*	1380	
LpIRIPa.1	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.2	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.3	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.4	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.5	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.6	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.7	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.8	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.9	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.10	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.11	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.12	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.13	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.14	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.15	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.16	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.17	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.18	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.19	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.20	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.22	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.23	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.24	:	CAAGCTGGGTGTAG-----	:	482			
LpIRIPa.25	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.26	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.28	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.29	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.30	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.31	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.32	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCG-----	:	524			
LpIRIPa.33	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.34	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.35	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.36	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.37	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.38	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.39	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.40	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	526			
LpIRIPa.41	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	525			
LpIRIPa.42	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	521			
LpIRIPa.43	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	521			
LpIRIPa.44	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	521			
LpIRIPa.45	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	515			
LpIRIPa.46	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	388			

FIGURE 26 (cont.)

74/108

*

LpIRIPa.1	: -----	:	-
LpIRIPa.2	: -----	:	-
LpIRIPa.3	: -----	:	-
LpIRIPa.4	: -----	:	-
LpIRIPa.5	: -----	:	-
LpIRIPa.6	: -----	:	-
LpIRIPa.7	: -----	:	-
LpIRIPa.8	: -----	:	-
LpIRIPa.9	: -----	:	-
LpIRIPa.10	: -----	:	-
LpIRIPa.11	: -----	:	-
LpIRIPa.12	: -----	:	-
LpIRIPa.13	: -----	:	-
LpIRIPa.14	: -----	:	-
LpIRIPa.15	: -----	:	-
LpIRIPa.16	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.17	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.18	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.19	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.20	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.21	: -----	:	-
LpIRIPa.22	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.23	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.24	: -----	:	-
LpIRIPa.25	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.26	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.27	: -----	:	-
LpIRIPa.28	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.29	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.30	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.31	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.32	: -----	:	-
LpIRIPa.33	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.34	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.35	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.36	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.37	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.38	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.39	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.40	: TATAGCATCAC	:	537
LpIRIPa.41	: TATAGCATCAC	:	536
LpIRIPa.42	: TATAGCATCAC	:	532
LpIRIPa.43	: TATAGCATCAC	:	532
LpIRIPa.44	: TATAGCATCAC	:	532
LpIRIPa.45	: TATAGCATCAC	:	526
LpIRIPa.46	: TATAGCATCAC	:	399

FIGURE 26 (cont.)

75/108

LpIRIPa : CCCGGGCTGGTAAAAGGTTTACGAAATAGTTGTTATTAACTATATATGTTTCATGTA ACT : 60
 LpIRIPa : ATATTTC AATATAATTATTGTATTACAGCAGAAAATCATTATTTCTATTACTTTGTATT : 120
 LpIRIPa : ATTATTTTGTTTTGAGTGTGTAA AATTGGGAATTACAAC TATACTATTTTCGTATGGGA : 180
 LpIRIPa : ACAATTTGTTAATTTTTGTGTCTCTCTTTCTCTTCATAGCTAGCTGACAGCGAGAACAAA : 240
 LpIRIPa : AACCAAGATCTAATTGTGGAAGTAGACTAGTAGTCGACCACCCATGCATGCTTACATAAG : 300
 LpIRIPa : AAAACACACGCACTATAAGATTGGATGCACCACCCAAGCACTATAAAAAGGATGCACCAC : 360
 LpIRIPa : CTAAGCAATTTTGGCCAACAGCGCGCACTTGTTTGCATTCAAAAAGAAAATCTTACATAG : 420
 LpIRIPa : CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCCTTGCTCCTTTCTTGGCGTTCCTCCTGCCGGCGG : 480
 LpIRIPa : CGAGCGTGCGGTTGTATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA : 540
 LpIRIPa : ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCGACAACCTCTGCTGTAGTT : 600
 LpIRIPa : GGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC : 660
 LpIRIPa : ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC : 720
 LpIRIPa : TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC : 780
 LpIRIPa : ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCA TTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC : 840
 LpIRIPa : AAATAAGGCTCAGGTGCCTCAACATCGTTGTCGTTCACTGGGCATGGCTTCCACTAACA : 900

FIGURE 27

76/108

LpIRIPa : TGACATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTAAGTGGGCAACCAAACACAATAACCG : 960

LpIRIPa : GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG : 1020

LpIRIPa : TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC : 1080

LpIRIPa : ATGTTGTAACCTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC : 1140

LpIRIPa : ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA : 1200

LpIRIPa : GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG : 1260

LpIRIPa : GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC : 1320

LpIRIPa : CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA : 1380

LpIRIPa : TATAGCATCAC : 1391

FIGURE 27 (cont.)

77/108

LpIRIPa : MEKSWFLLFLAFLLPAA SVAVSCHPDDLLALRGFAGNLSNGGVLLHAKWPDNSCCSWEG : 60

LpIRIPa : VGCDGGSGRVTTTLWLPGLAGHIPTASLAGLARLESNLANNKLVGTIPSWIGVLDHLC : 120

LpIRIPa : YLDLSNNSLVGEIPKNLQIRLRCLNIVGRSLGMASTNMTLQVKHNOIALSGQPNTITGTN : 180

LpIRIPa : NYVRSGVNNVVSGNHNTVTS GNNNVVSGNHNTVSGTNHVVTGNNHVVTNRNQNTVSGSEHK : 240

LpIRIPa : VSGGHNTVSGSHNTVSGSHNTVSGSNHIVHGNNKVVTGG : 279

FIGURE 28

78/108

		*	20	*	40	*	60	
LpIRIPb.1	:	CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	60				
LpIRIPb.2	:	CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	60				
LpIRIPb.3	:	CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	60				
LpIRIPb.4	:	CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	60				
LpIRIPb.5	:	CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	60				
LpIRIPb.6	:	CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	60				
LpIRIPb.7	:	CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	60				
LpIRIPb.8	:	CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	60				
LpIRIPb.9	:	CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	60				
LpIRIPb.10	:	CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	60				
LpIRIPb.11	:	CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	60				
LpIRIPb.12	:	-----AATGGAGGAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	44				
LpIRIPb.13	:	-----TTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC	:	28				
LpIRIPb.14	:	-----CC	:	2				
LpIRIPb.15	:	-----	:	-				
LpIRIPb.16	:	-----	:	-				
		*	80	*	100	*	120	
LpIRIPb.1	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	120				
LpIRIPb.2	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	120				
LpIRIPb.3	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	120				
LpIRIPb.4	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	120				
LpIRIPb.5	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	120				
LpIRIPb.6	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	120				
LpIRIPb.7	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	120				
LpIRIPb.8	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	120				
LpIRIPb.9	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	120				
LpIRIPb.10	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	120				
LpIRIPb.11	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	120				
LpIRIPb.12	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	104				
LpIRIPb.13	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	88				
LpIRIPb.14	:	TGCCCGCGCGGAGCGTGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	62				
LpIRIPb.15	:	-----GTGGCGGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT	:	46				
LpIRIPb.16	:	-----	:	-				
		*	140	*	160	*	180	
LpIRIPb.1	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	180				
LpIRIPb.2	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	180				
LpIRIPb.3	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	180				
LpIRIPb.4	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	180				
LpIRIPb.5	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	180				
LpIRIPb.6	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	180				
LpIRIPb.7	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	180				
LpIRIPb.8	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	180				
LpIRIPb.9	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	180				
LpIRIPb.10	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	180				
LpIRIPb.11	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	180				
LpIRIPb.12	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	164				
LpIRIPb.13	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	148				
LpIRIPb.14	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	122				
LpIRIPb.15	:	TGCGCCGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCCGGCAACTCTT	:	106				
LpIRIPb.16	:	-----	:	-				

FIGURE 29

79/108

		*	200	*	220	*	240	
LpIRIPb.1	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.2	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.3	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.4	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.5	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.6	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.7	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.8	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.9	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.10	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.11	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.12	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	224				
LpIRIPb.13	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	208				
LpIRIPb.14	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	182				
LpIRIPb.15	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	166				
LpIRIPb.16	:	-----	:	-				

		*	260	*	280	*	300	
LpIRIPb.1	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.2	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.3	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.4	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.5	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.6	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.7	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.8	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.9	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.10	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.11	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.12	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	284				
LpIRIPb.13	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	268				
LpIRIPb.14	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	242				
LpIRIPb.15	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	226				
LpIRIPb.16	:	-----	:	-				

		*	320	*	340	*	360	
LpIRIPb.1	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.2	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.3	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.4	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.5	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.6	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.7	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.8	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.9	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.10	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.11	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.12	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	344				
LpIRIPb.13	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	328				
LpIRIPb.14	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	302				
LpIRIPb.15	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	286				
LpIRIPb.16	:	-----	:	-				

FIGURE 29 (cont.)

80/108

		*	380	*	400	*	420	
LpIRIPb.1	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420			
LpIRIPb.2	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420			
LpIRIPb.3	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420			
LpIRIPb.4	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420			
LpIRIPb.5	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420			
LpIRIPb.6	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420			
LpIRIPb.7	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420			
LpIRIPb.8	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420			
LpIRIPb.9	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420			
LpIRIPb.10	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420			
LpIRIPb.11	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420			
LpIRIPb.12	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	404			
LpIRIPb.13	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	388			
LpIRIPb.14	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	362			
LpIRIPb.15	:	-----	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	346			
LpIRIPb.16	:	-----	-----	:	-			
		*	440	*	460	*	480	
LpIRIPb.1	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480			
LpIRIPb.2	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480			
LpIRIPb.3	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480			
LpIRIPb.4	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480			
LpIRIPb.5	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480			
LpIRIPb.6	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480			
LpIRIPb.7	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480			
LpIRIPb.8	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480			
LpIRIPb.9	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480			
LpIRIPb.10	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480			
LpIRIPb.11	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480			
LpIRIPb.12	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	464			
LpIRIPb.13	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	448			
LpIRIPb.14	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	422			
LpIRIPb.15	:	-----	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	406			
LpIRIPb.16	:	-----	GGTGCCCAACATTGGTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	39			
		*	500	*	520	*	540	
LpIRIPb.1	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540			
LpIRIPb.2	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540			
LpIRIPb.3	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540			
LpIRIPb.4	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540			
LpIRIPb.5	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540			
LpIRIPb.6	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540			
LpIRIPb.7	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540			
LpIRIPb.8	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540			
LpIRIPb.9	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540			
LpIRIPb.10	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540			
LpIRIPb.11	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540			
LpIRIPb.12	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	524			
LpIRIPb.13	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	508			
LpIRIPb.14	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	482			
LpIRIPb.15	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	466			
LpIRIPb.16	:	-----	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	99			

FIGURE 29 (cont.)

81/108

	*	560	*	580	*	600	
LpIRIPb.1 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 568
LpIRIPb.2 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 568
LpIRIPb.3 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 568
LpIRIPb.4 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 568
LpIRIPb.5 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 568
LpIRIPb.6 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 568
LpIRIPb.7 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 568
LpIRIPb.8 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 568
LpIRIPb.9 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAGAT						: 570
LpIRIPb.10 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 568
LpIRIPb.11 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 569
LpIRIPb.12 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 552
LpIRIPb.13 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 536
LpIRIPb.14 :	CAATAA						: 488
LpIRIPb.15 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG						: 494
LpIRIPb.16 :	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACC						: 159

	*	620	*	640	*	660	
LpIRIPb.1 :							: -
LpIRIPb.2 :							: -
LpIRIPb.3 :							: -
LpIRIPb.4 :							: -
LpIRIPb.5 :							: -
LpIRIPb.6 :							: -
LpIRIPb.7 :							: -
LpIRIPb.8 :							: -
LpIRIPb.9 :							: -
LpIRIPb.10 :							: -
LpIRIPb.11 :							: -
LpIRIPb.12 :							: -
LpIRIPb.13 :							: -
LpIRIPb.14 :							: -
LpIRIPb.15 :							: -
LpIRIPb.16 :	ACAACACTGTCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAACCACAACACCGTGTCTG						: 219

	*	680	*	700	*	720	
LpIRIPb.1 :							: -
LpIRIPb.2 :							: -
LpIRIPb.3 :							: -
LpIRIPb.4 :							: -
LpIRIPb.5 :							: -
LpIRIPb.6 :							: -
LpIRIPb.7 :							: -
LpIRIPb.8 :							: -
LpIRIPb.9 :							: -
LpIRIPb.10 :							: -
LpIRIPb.11 :							: -
LpIRIPb.12 :							: -
LpIRIPb.13 :							: -
LpIRIPb.14 :							: -
LpIRIPb.15 :							: -
LpIRIPb.16 :	GGACCAACCATGTTGTAACTGCTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAAATACCGTAT						: 279

FIGURE 29 (cont.)

82/108

	*	740	*	760	*	780	
LpIRIPb.1	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.2	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.3	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.4	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.5	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.6	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.7	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.8	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.9	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.10	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.11	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.12	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.13	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.14	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.15	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.16	:	CTGGGAGCCATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCG	:		:		: 339

	*	800	*	820	*	840	
LpIRIPb.1	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.2	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.3	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.4	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.5	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.6	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.7	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.8	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.9	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.10	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.11	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.12	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.13	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.14	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.15	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.16	:	TATCTGGAAGCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACGTCGTACACGGGAACAACAAG	:		:		: 399

	*	860	*	880	*	900	
LpIRIPb.1	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.2	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.3	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.4	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.5	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.6	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.7	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.8	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.9	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.10	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.11	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.12	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.13	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.14	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.15	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.16	:	TCCGTGACAGGAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCTTAACGGAGTTCAC	:		:		: 459

FIGURE 29 (cont.)

83/108

	*	920	*	940	*	960		
LpIRIPb.1	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.2	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.3	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.4	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.5	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.6	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.7	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.8	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.9	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.10	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.11	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.12	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.13	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.14	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.15	:	-----	:	-----	:	-----	:	
LpIRIPb.16	:	GTCC TTGTCCAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAA					:	519

	*	980	
LpIRIPb.1	:	-----	:
LpIRIPb.2	:	-----	:
LpIRIPb.3	:	-----	:
LpIRIPb.4	:	-----	:
LpIRIPb.5	:	-----	:
LpIRIPb.6	:	-----	:
LpIRIPb.7	:	-----	:
LpIRIPb.8	:	-----	:
LpIRIPb.9	:	-----	:
LpIRIPb.10	:	-----	:
LpIRIPb.11	:	-----	:
LpIRIPb.12	:	-----	:
LpIRIPb.13	:	-----	:
LpIRIPb.14	:	-----	:
LpIRIPb.15	:	-----	:
LpIRIPb.16	:	CTTCGTGGATATAGCATCAC	:

FIGURE 29 (cont.)

84/108

LpIRIPb : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCTCTCC : 60
 LpIRIPb : TGCCGCGCGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
 LpIRIPb : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT : 180
 LpIRIPb : GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGCCGTGTCACTACTTTATGGC : 240
 LpIRIPb : TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGACGGC : 300
 LpIRIPb : TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG : 360
 LpIRIPb : TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA : 420
 LpIRIPb : AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTGTTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT : 480
 LpIRIPb : CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAATAGCACTGAGTGGGCAACCAACA : 540
 LpIRIPb : CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACC : 600
 LpIRIPb : ACAACACTGTCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAACCACAACACCGTGTCTG : 660
 LpIRIPb : GGACCAACCATGTTGTAAGTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACCGTAT : 720
 LpIRIPb : CTGGGAGCCATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCG : 780
 LpIRIPb : TATCTGGAAGCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACGTCGTACACGGGAACAACAAAG : 840

FIGURE 30

85/108

LpIRIPb : TCGTGACAGGAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCTAACGGAGTTCAC : 900

LpIRIPb : GTCCTTGTCGAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAA : 960

LpIRIPb : CTTCGTGGATATAGCATCAC : 980

FIGURE 30 (cont.)

86/108

LpIRIPb : MEKSWFLLLLFLTFLPAASVAVSCHPDDLALRGFAGNLSNGGVLLHAKWFGNSCCSWEG : 60

LpIRIPb : VGCDGGSGRVTTLWLRGHLAGHIPTASLAGLARLESINLANNKLVGTIPSWMGVLDHLC : 120

LpIRIPb : YLDLSNNSLVGEIPKNLQRRLSCPNIVGHS LGTASTNMPLQVKHNQIALSGQPNTITGTN : 180

LpIRIPb : NYVRSGVNNVSGNHNTVTS GNNNVVSGNHNTVSGTNEHVVTGNNHVVTRNQNTVSGSHHK : 240

LpIRIPb : VSGGHNTVSGSHNTVSGSHNTVSGSNHVVHGNKVVTTGG : 279

FIGURE 31

87/108

AATCGTCCTTGCATTAGGCCGGTCACGATGTGTGGTCTAGCCATTCCATG
TCATCCACATCATATAGGTTGGTGACGTTTATTTTGAAGTCTGCGTAATA
AAATCTTCCTAGGATATTTGCATGGTATCACTCAATTATTACTCTGAGTA
GGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCACAGCTCCAATCCTACATGTGGT
AGCTGACAACAAGCAGCTTGAGTGCTTGCCACCCACGAATTCAGTCGAC
AGAAAACACCAAAAACCAAGCTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTG
TGGTCACGGACTAGTATTAGACCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATAC
ACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAAGCAGTTTTTAACAACAACG
CTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAATCCATATATA
GCATACCACGGCTGAATCCATG

FIGURE 32

88/108

CCTTGTTGCGACTCCGTCTCAAGGGCCTTGAACCTCCTCGCAGACTCCTCT
TCGAGGGCCTGGAGTTTTTGCTCTGAGTCCTTGGAGCGGCGCAAAGCGTC
ATCTCTTTTCGGCTACAAAATAAAGAATGTTACAAGTGCTTGCAAGGGAAA
TTCATGGAAGGATCTTAAAGATAGTGCTATACCCGGAAGTCGAGCTCGCT
CTACTAGCAGGGAGCCATGATCAGCTTCAACCTTCGCGAATCTACGCGCC
ATGTCCATTAGCTGGCAAGAAAGAGGCTGCACAGAAATAATTATTCTTAG
TATCCCGCGTTGCCAGAATAGGCTCGGGGGCTACATTAGGATAAAAAAGA
TAAGGGTGCGGAACCTTACGTTTTCTATGCGAGGAGGAGGTGAAGGTCTGG
GAGTCGAAGTTTTCTCCTCCCGCATGATTGTCTTCTCAGGTGAAGACTTC
AAAGCTTCATCATGGTCCACCAACCTCCGCGCTTCATCAGCGGAAGTGGC
TGTCGACTCCATATCCCTTCTCGGGGGTTTAGCTAAGTCATCTTCCCCTT
CGGATCTGTTGTTTATATTTGTATGTGTGGTTTTATTTTTCAAAGCTGAT
ACGATGGTTGCTAAATATAACAGGCTACAAATAGGATATACTTTCCTCTA
CTCTCCCGTCTATTAATCTTCATATGTATGTGTGCATGTATGATGTATCA
AAGTAGAGCATGCATAGGGCTTGTGCACCCCTTGGTAGCCTCGATGACCT
TGACCTTGTGTTGTTTGGTAGCATCGAATCGATTGCGAGAAAATAGTAAG
TTTCTCAATCTGATCAGCCAGACACCGAACATATTATTTGGTAAATAATG
ACGGCGATTCACAATTTTTCAATAATCGTGTAGAATTAGTTGGCTTAACA
AAAGTCGGCACATTAGGCCGGTCACGATGTGTCTCATCCGAGAAATT
CCATGTCAACCACATCGTCTAGGTTCGTATCGTTTATTTTGACGTCTGCA
TAATAAGATCTTCCTAGGATATTTTGTTCCTCTGCGTGCACTGGAAGTGT
AGGCGCGCGGTATCACTCACCTTGTTACTCTGCCAAGGCATGGGTGACAAG
TACCTCTCCAGCTCAGTTCCAACCCTATATGCGGTAGCTGACGAAGGGCA
GCTTGAGTCCATGCCACCCACGAATTTCAGTGACAGACAACACCAAAAA
CCAAGTTTGAATTGGGAGGCACCTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGCT
AGTACTGAACCACTTGCGACACATGCTTACACACACACACACACACTA
TAAGTAGCATGTACCACCCAAGTAGTTTTTAACAACAACACTTGCGAATC
ACTTGCAATCCAAAAAGTTCATTCTGAGTTGCATACCACAGCTGAATC
CATG

FIGURE 33

89/108

AAAAGGTTTACGAAATAGTTGTTATTAACTATATATGTTTCATGTA
TATTTCAATATAATTATTTGTATTACAGCAGAAAATCATTATTTCTATTA
CTTTGTATTATTATTTTGTGAGTGTTGTAAAATTGGGAATTACA
ATACTATTTTCGTATGGGAACAATTTGTTAATTTTGTGTCTCTCTTCT
CTTCATAGCTAGCTGACAGCGAGAACAAAAACCAAGATCTAATTGTGGAA
GTAGACTAGTAGTCGACCACCCATGCATGCTTACATAAGAAAACACACGC
ACTATAAGATTGGATGCACCACCCAAGCACTATAAAAAGGATGCACCACC
TAAGCAATTTTGGCCAACAGCGCGCACTTGTTTGCATTCAAAAAGAAAAT
CTTACATAGCTGAACCAATG

FIGURE 34

90/108

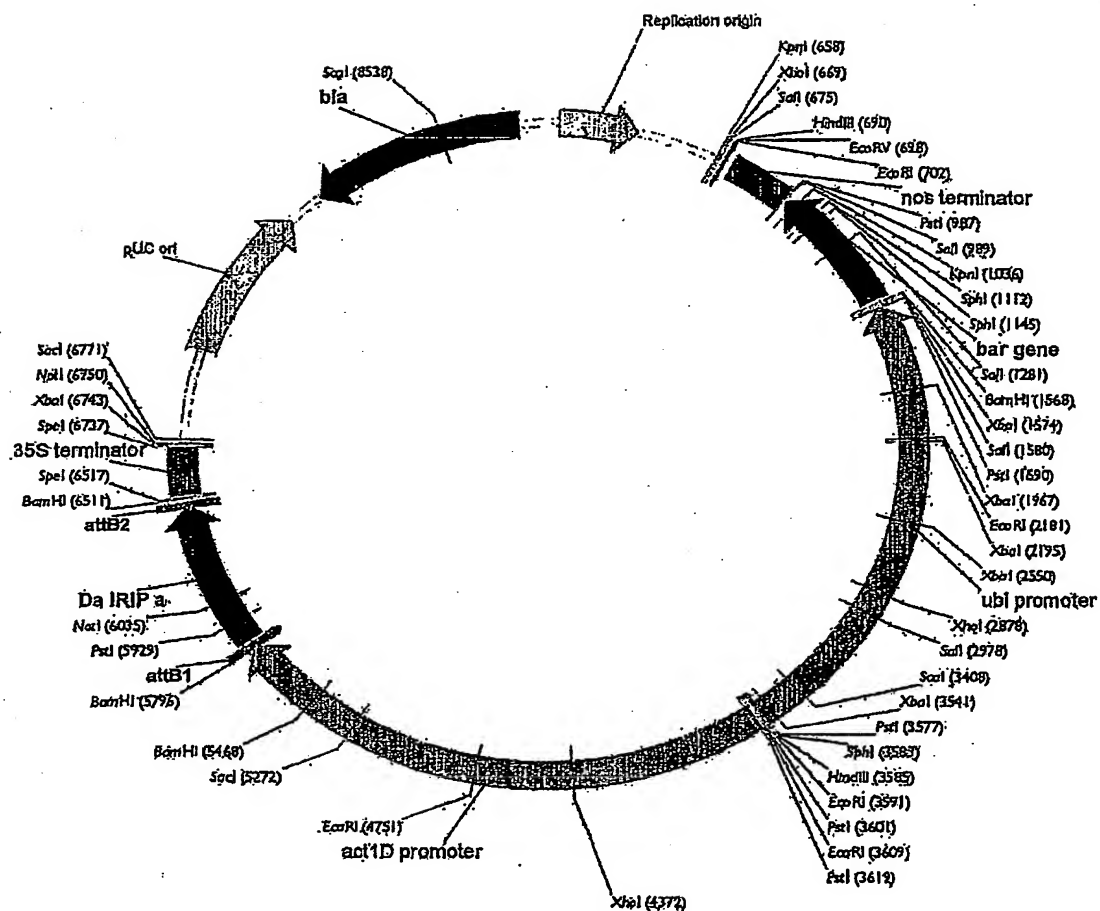


FIGURE 35

91/108

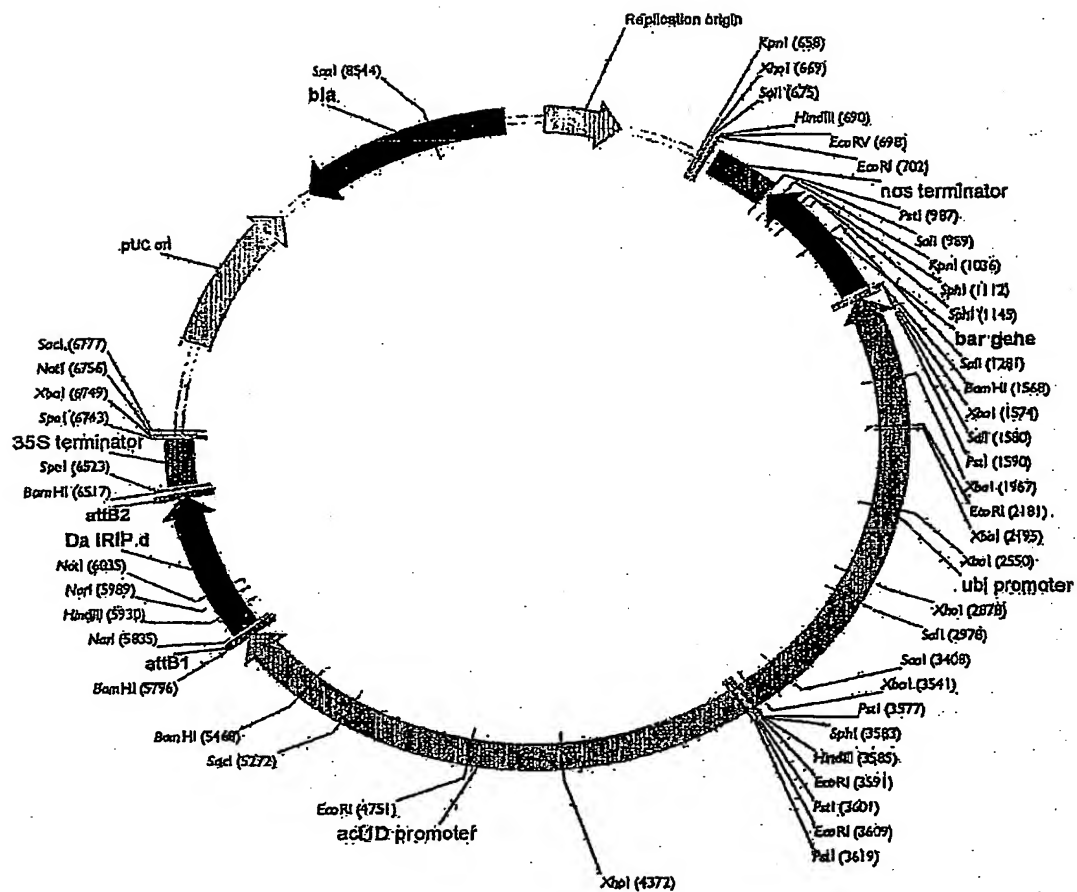


FIGURE 36

92/108

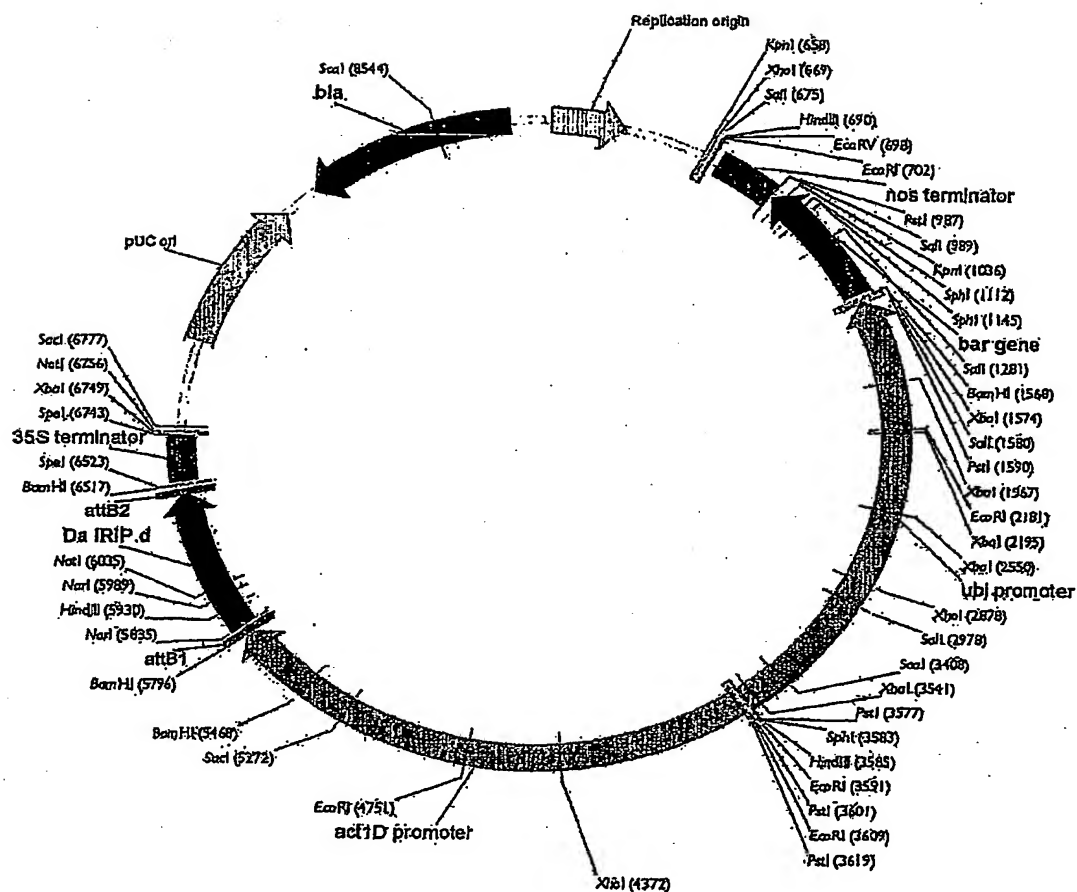


FIGURE 37

93/108

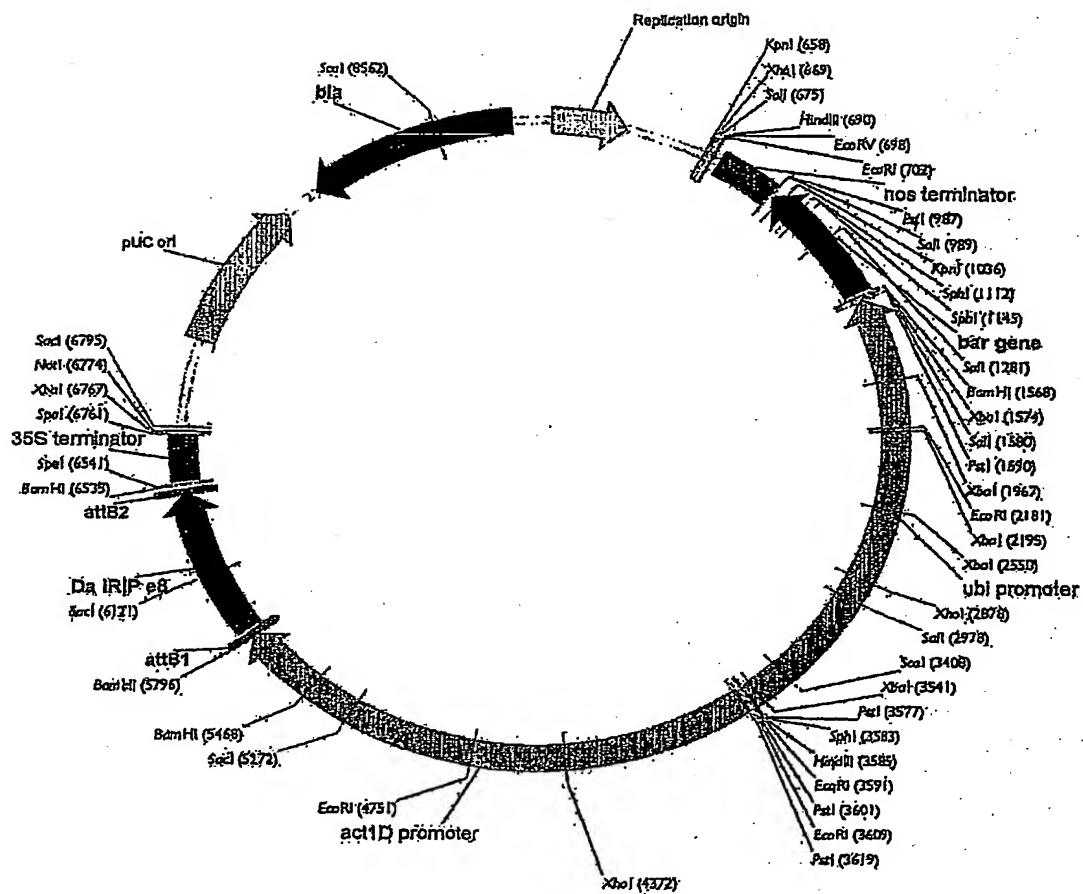


FIGURE 38

94/108

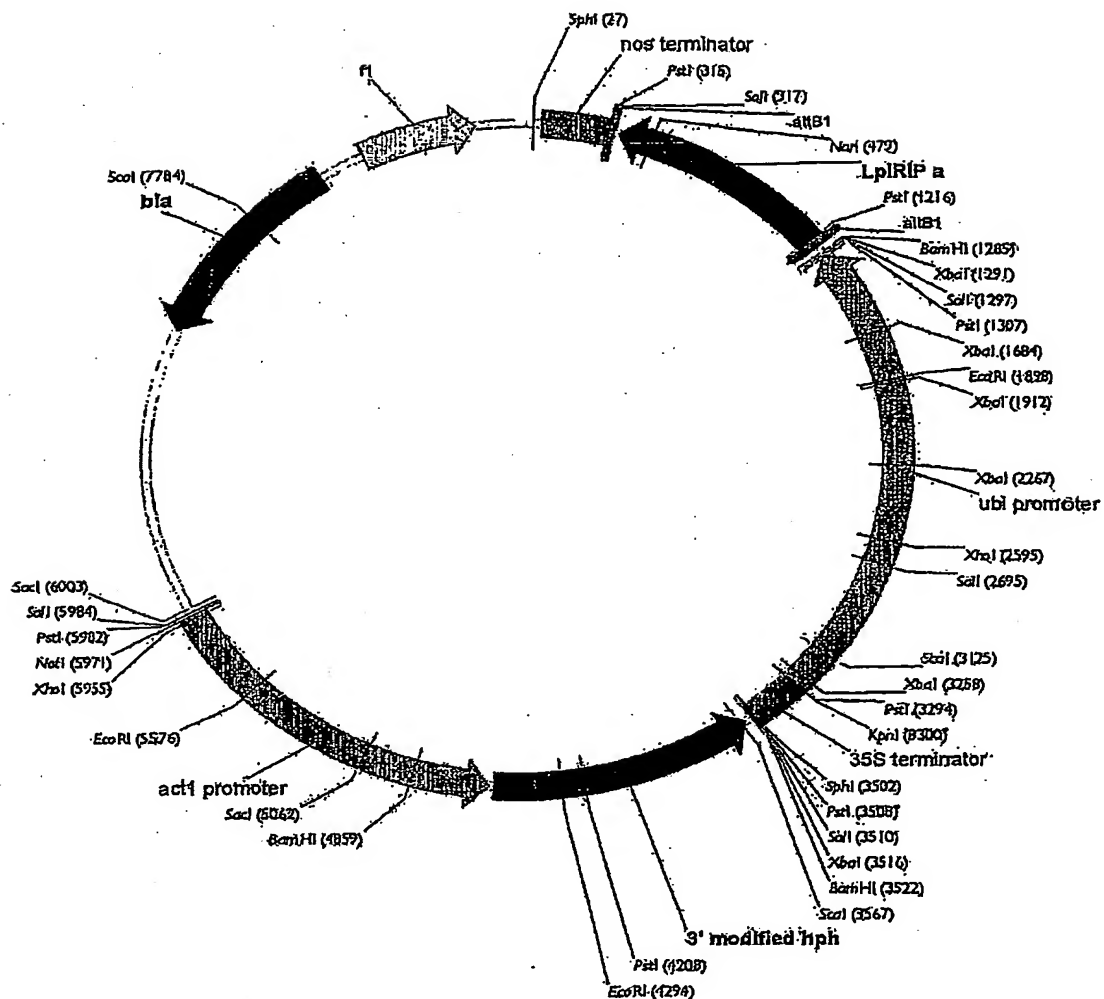


FIGURE 39

95/108

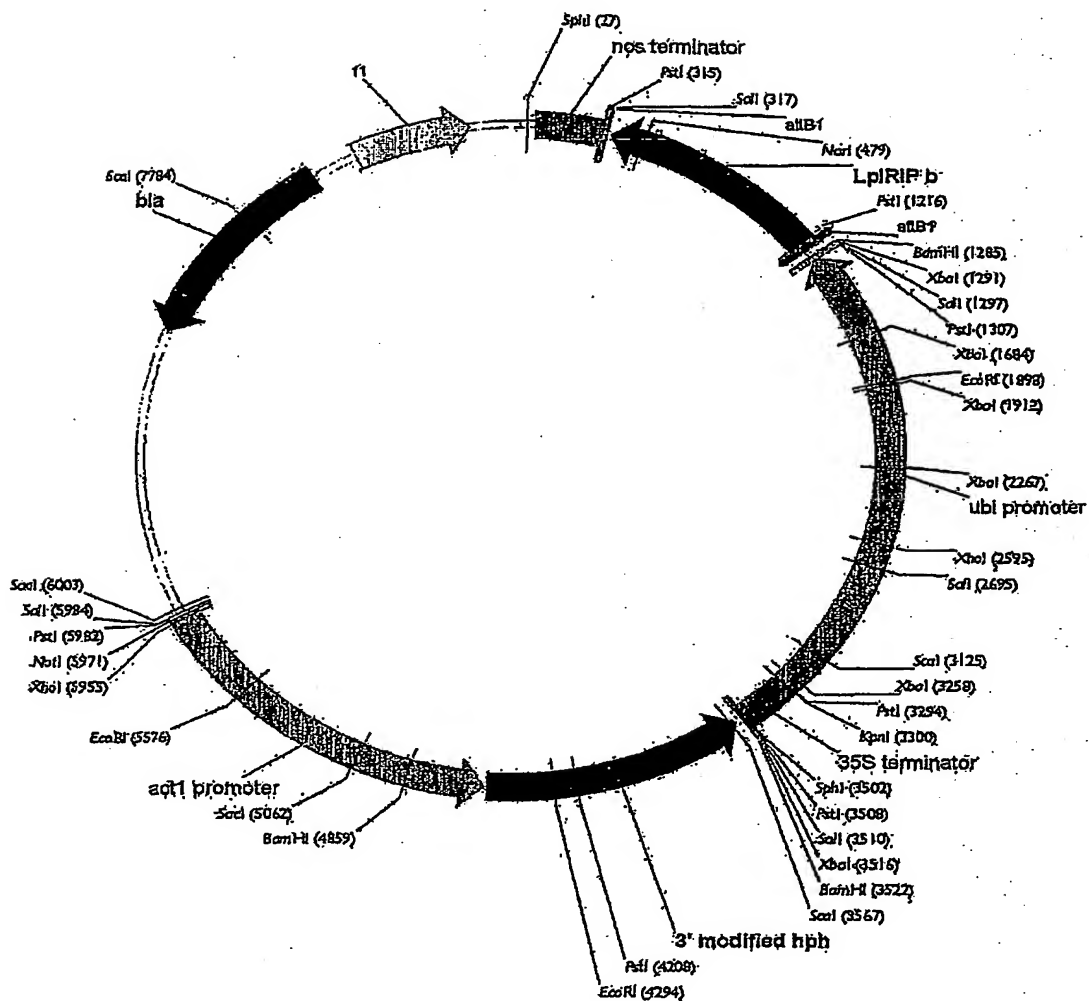


FIGURE 40

96/108

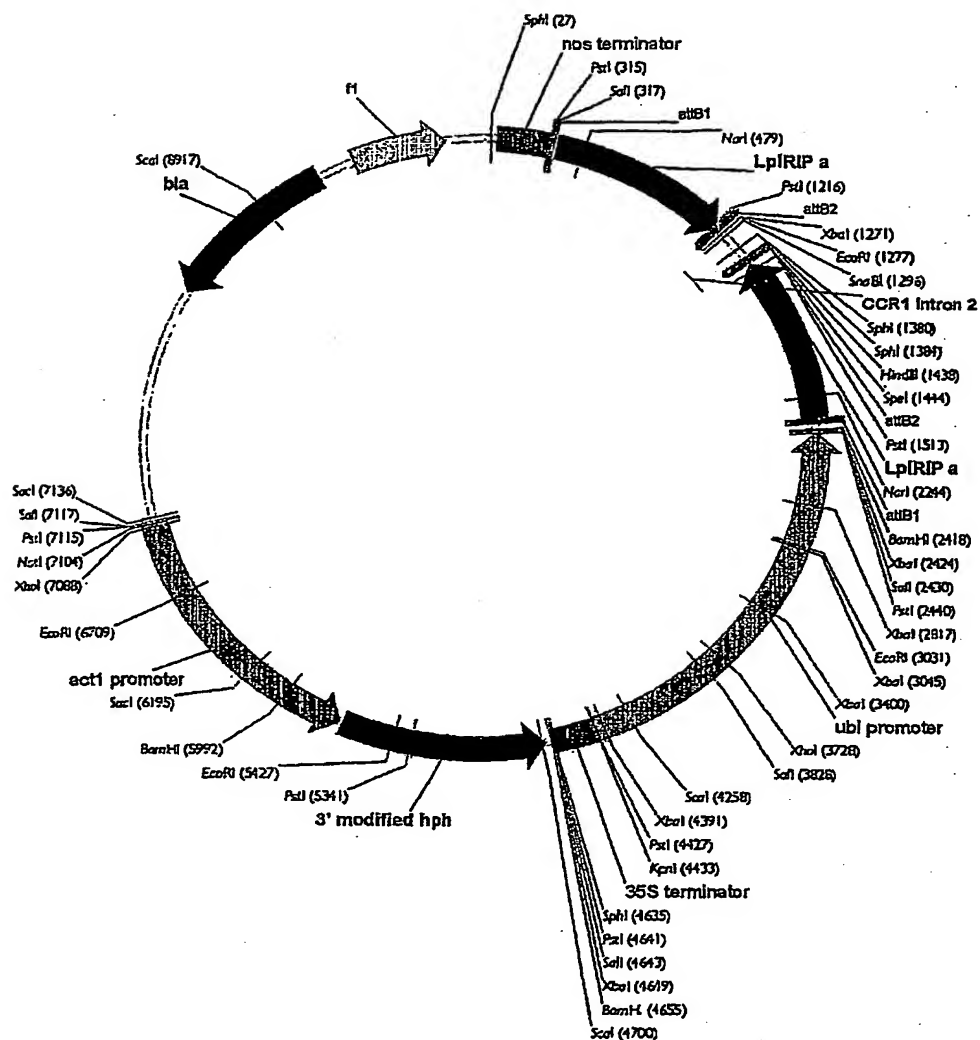


FIGURE 41

97/108

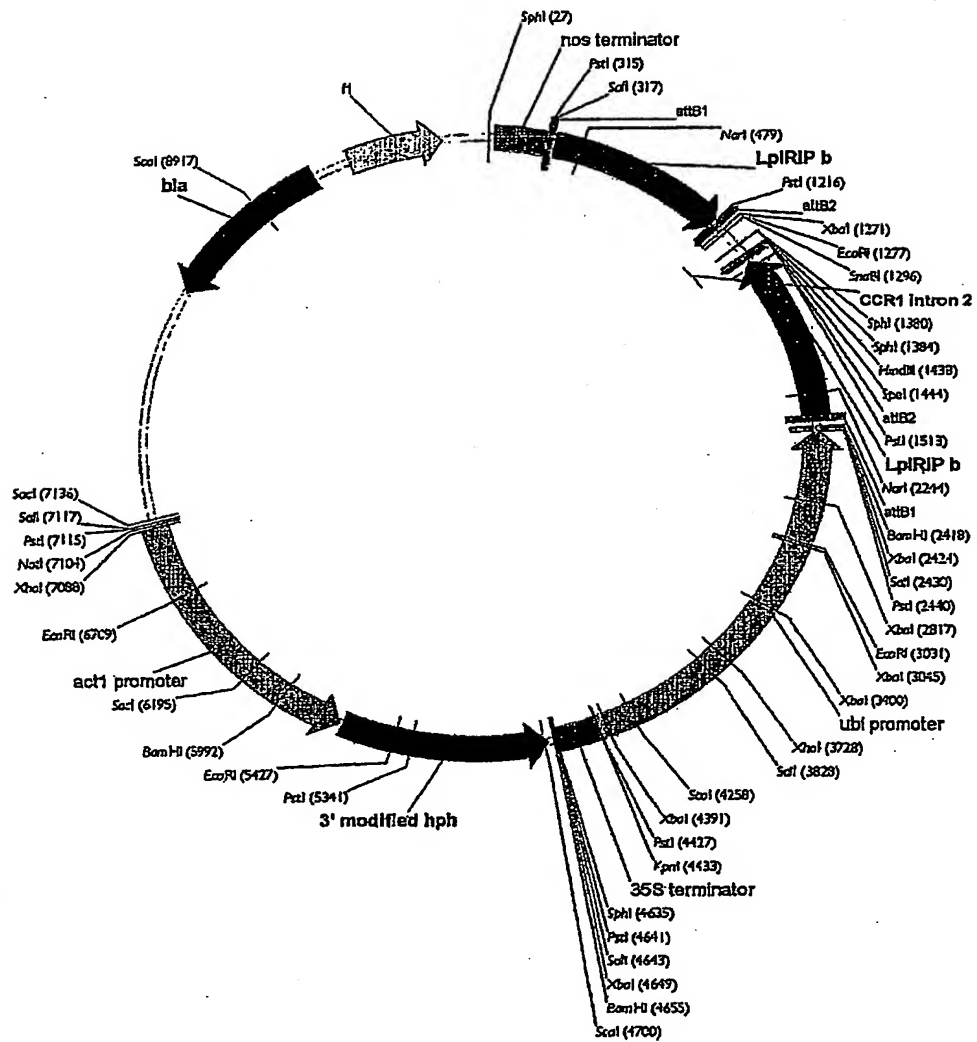


FIGURE 42

98/108

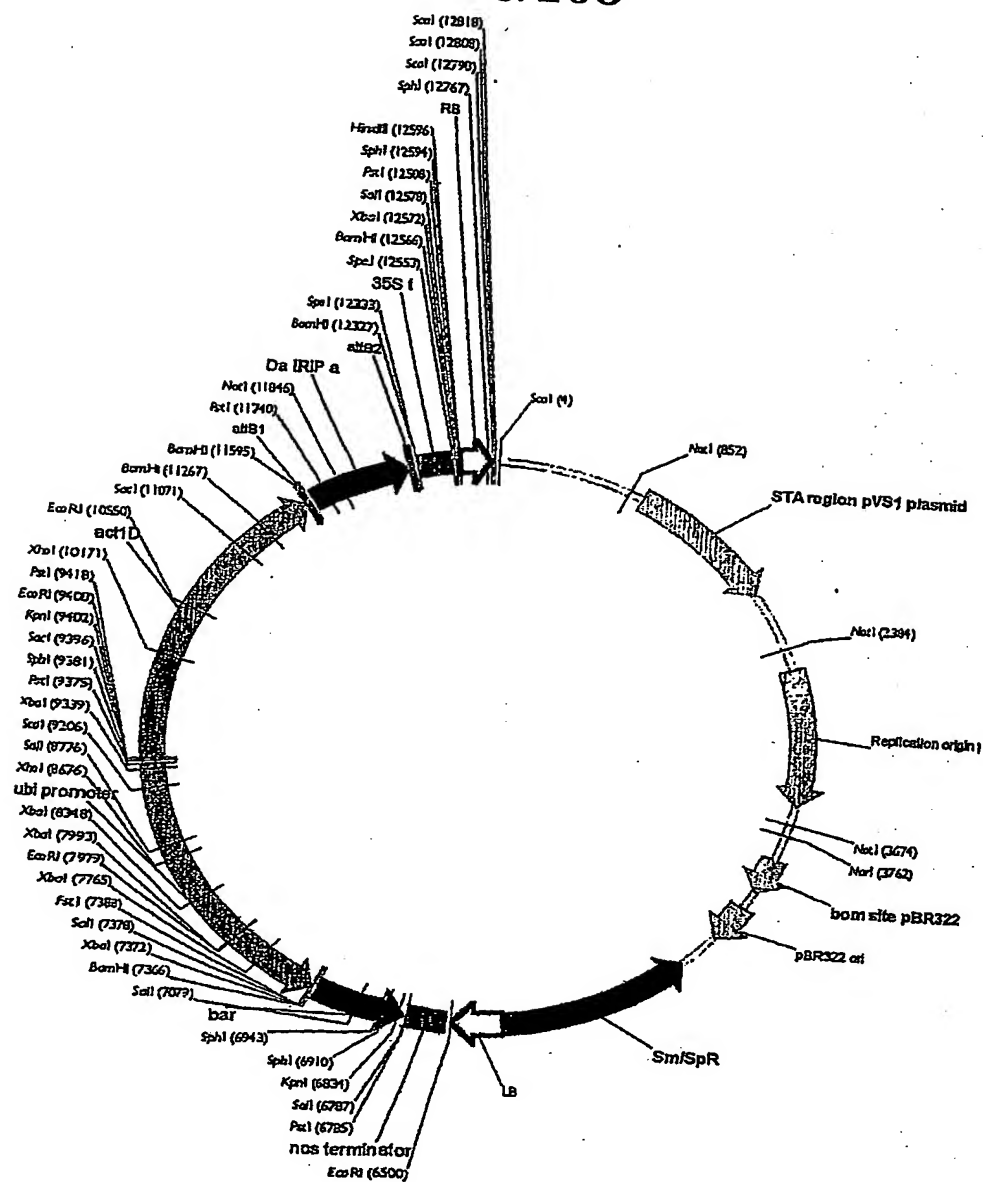


FIGURE 43

99/108

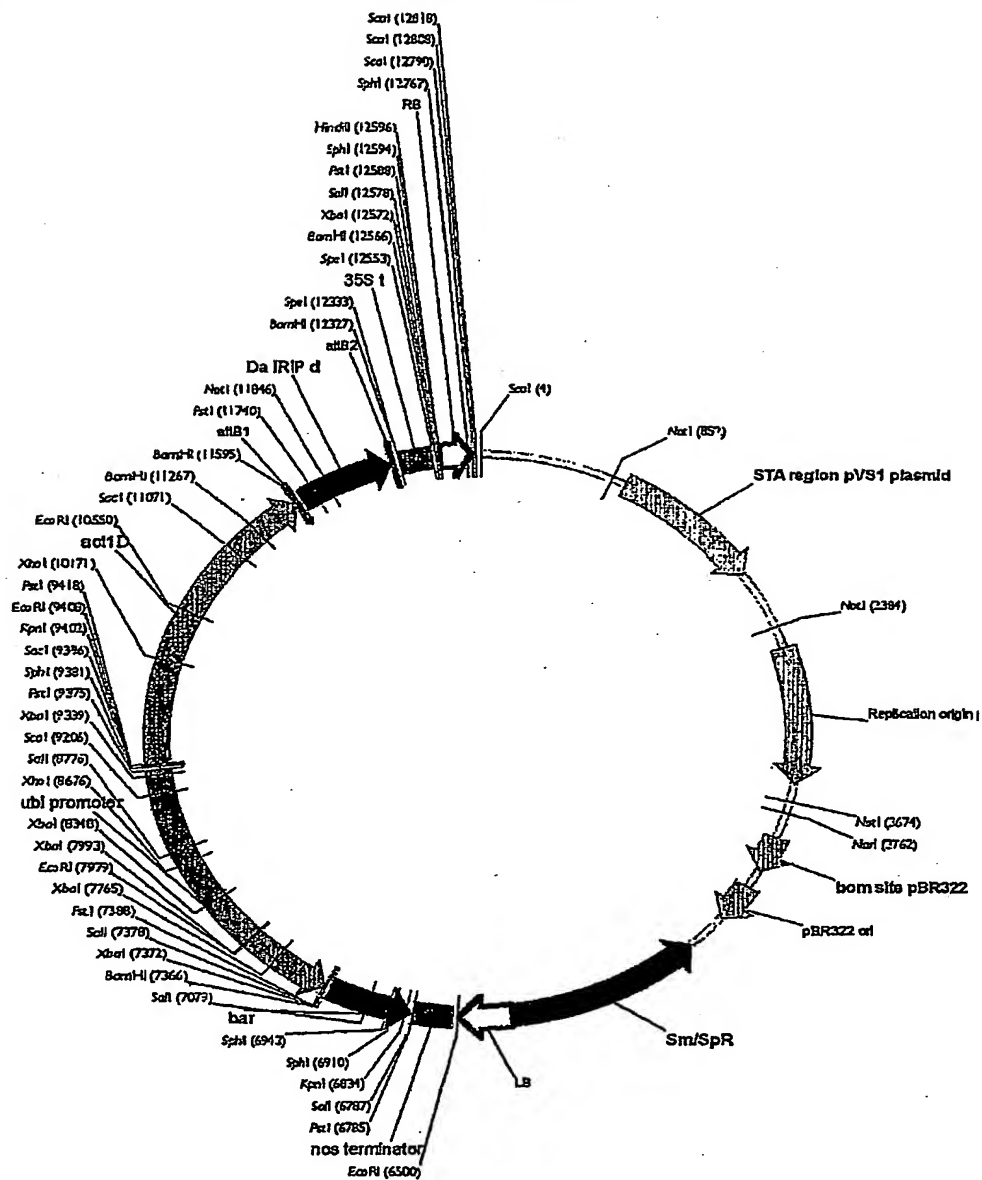


FIGURE 44

100/108

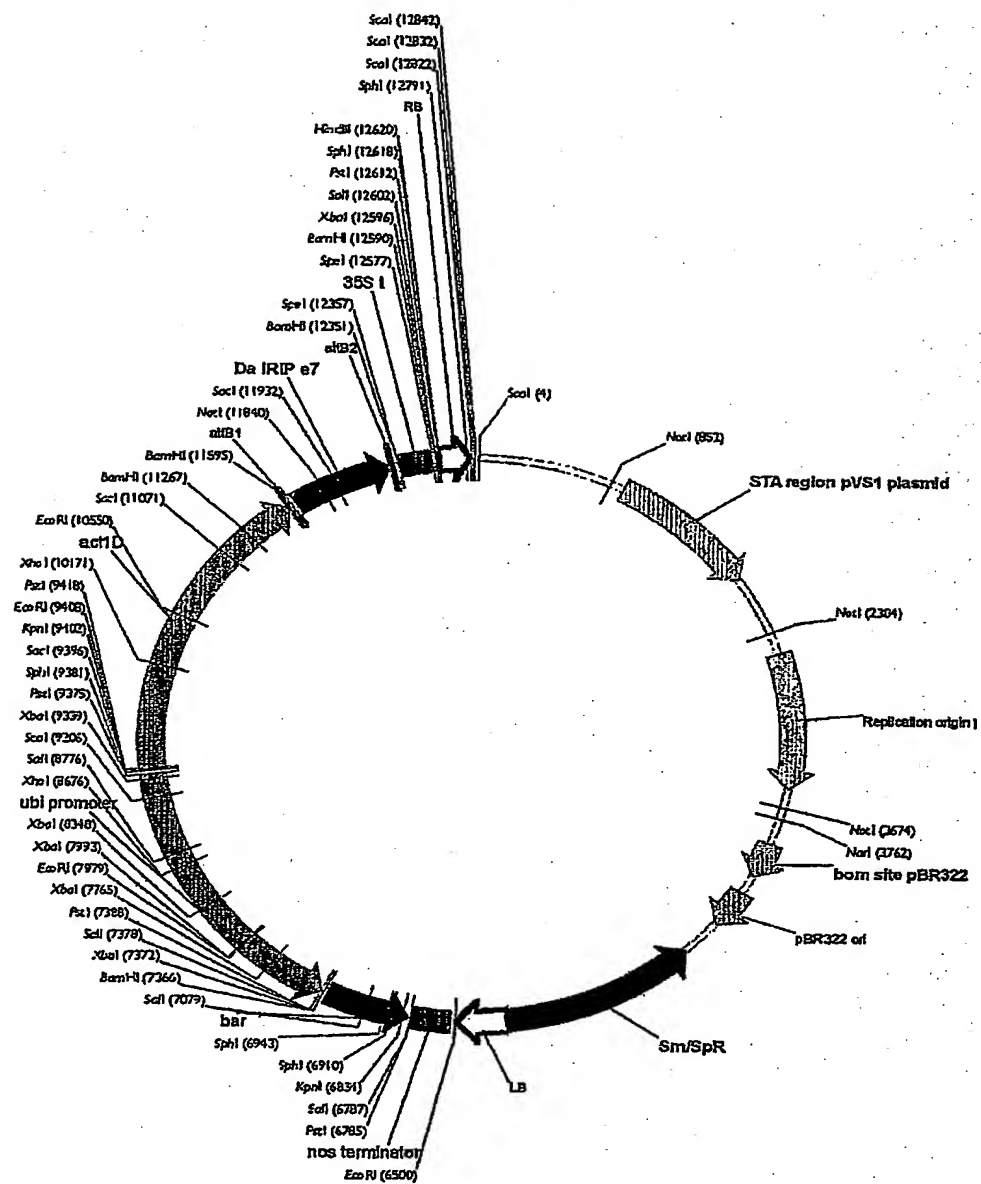


FIGURE 45

101/108

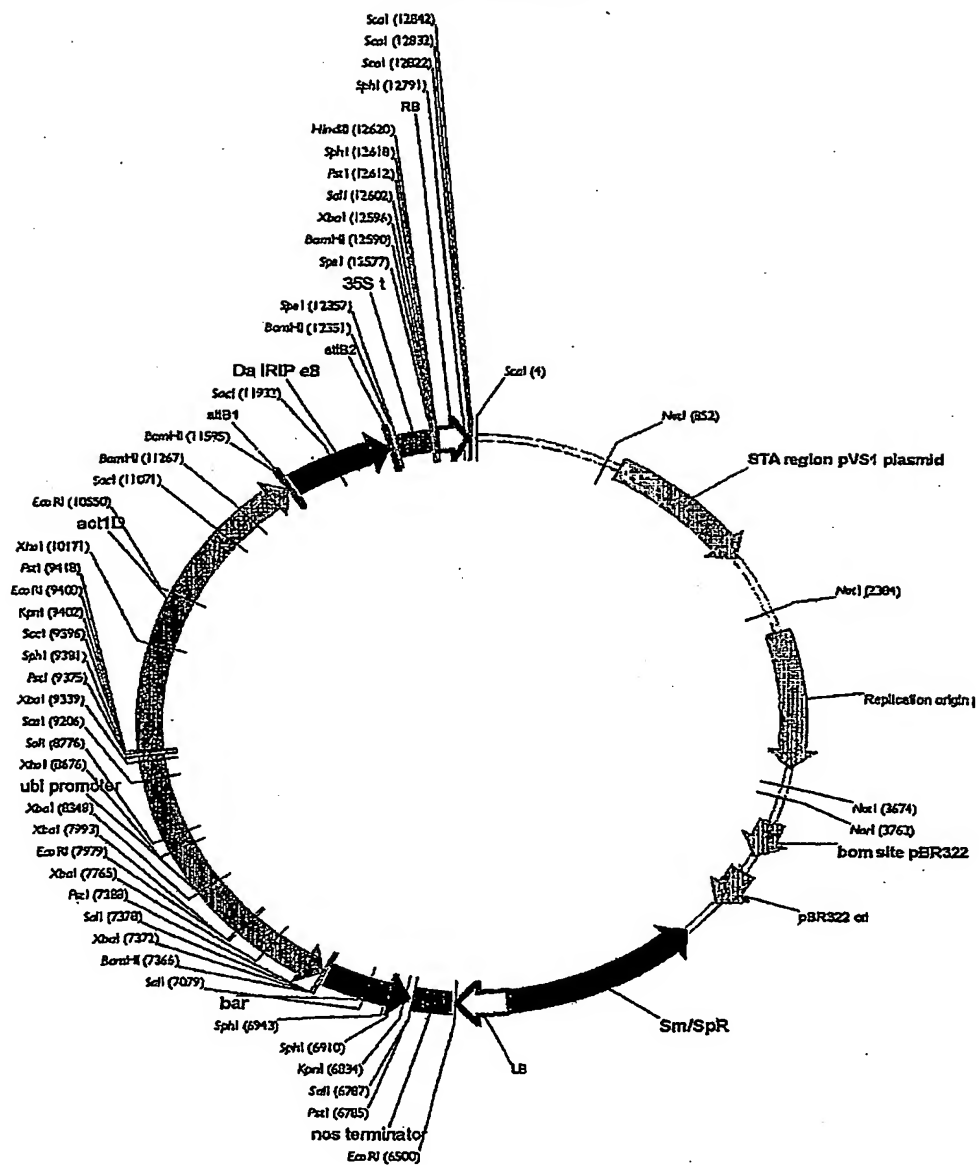


FIGURE 46

103/108

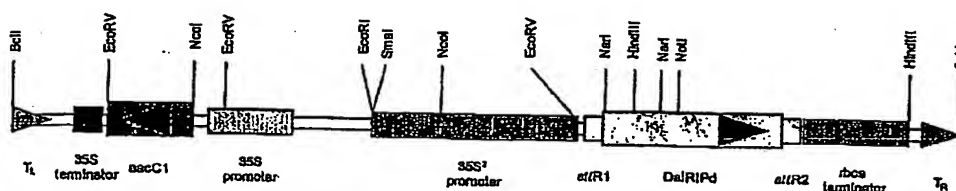


FIGURE 48

104/108

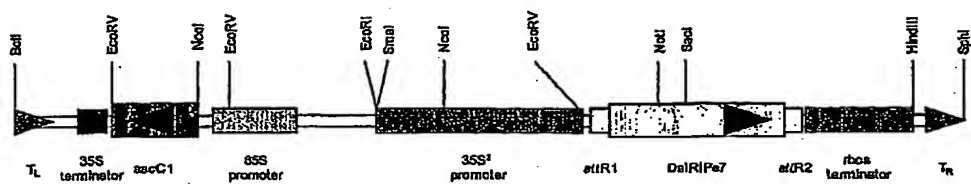


FIGURE 49

105/108

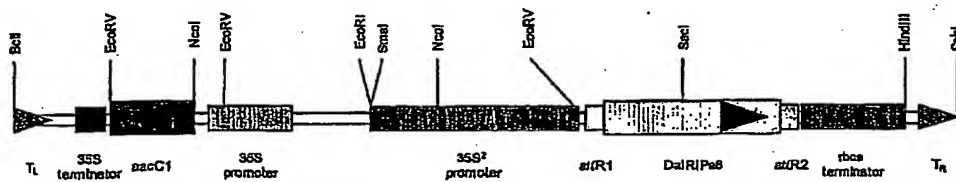


FIGURE 50

106/108

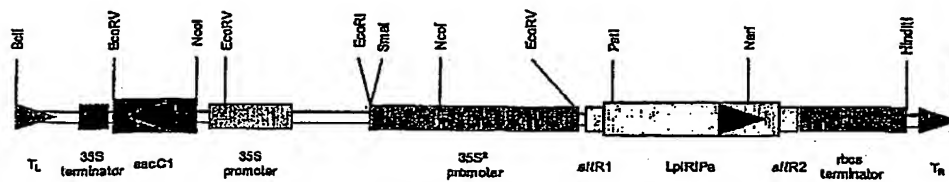


FIGURE 51

108/108

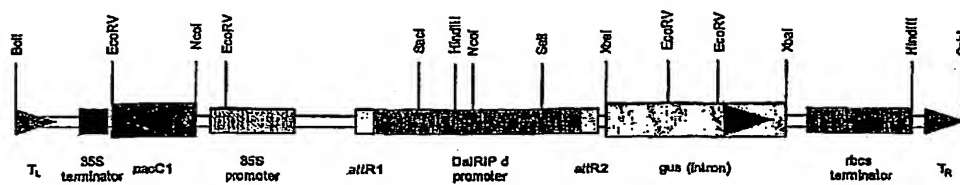


FIGURE 53